

## **HERENCIA MATERNA EN POBLACIONES DE PUNA Y VALLE CALCHAQUÍ – SALTA**

**Albeza, María V.<sup>1,2,3</sup>; Acreche, Noemí<sup>1,2,4</sup>; Picornell, Antonia<sup>5</sup>; Giménez, P.<sup>5</sup>; Castro, José A.<sup>5</sup> y Ramón, María M.<sup>5</sup>**

<sup>1</sup>Cát. Fundamentos de Antropología Biológica. Fac. de Humanidades, UNSa. <sup>2</sup>CIUNSa. <sup>3</sup>Cátedra Bioantropología. Fac. de Cs Naturales, UNSa. <sup>4</sup>Cát. Evolución. Fac. de Cs. Naturales, UNSa. <sup>5</sup>Laboratori de Genetica, Universitat de les Illes Balears, España.

Las poblaciones de la Puna y el Valle Calchaquí han sido estudiadas, tanto desde la perspectiva demográfica como de marcadores genéticos clásicos y nucleares. En este trabajo se analizan las secuencias de la región hipervariable I del mtDNA, en muestras de 100 individuos de diferentes localidades. La zona comprendida entre las posiciones 15997-16400 según la secuencia Anderson (región hipervariable I-HVRI) fue secuenciada. El motivo RFLP-7025 AluI fue adicionalmente analizado en las muestras para determinar su inclusión dentro del haplogrupo H. Las muestras que resultaron no-H fueron asignadas a distintos haplogrupos. Se han detectado un total de 34 haplotipos distintos definidos por 50 posiciones variables de los que una muy baja proporción (13,1 %) resultaron haplotipos únicos. Sólo 4 de los 34 haplotipos son compartidos entre la población de la Puna y la de los Valles.