

## **LINAJES MITOCONDRIALES EN POBLACIONES DEL CHACO ARGENTINO: PATRONES UNICOS DE VARIACION REGIONAL**

**Demarchi, Darío A.<sup>1</sup>; Cabana, Graciela S.<sup>2</sup>; Hunley, Keith L.<sup>3</sup>; Merriwether, D. Andrew<sup>4</sup>**

<sup>1</sup>Museo de Antropología, FFyH, UNC. [ddemarchi@com.uncor.edu](mailto:ddemarchi@com.uncor.edu)

<sup>2</sup>Department of Anthropology, Arizona State University

<sup>3</sup>Department of Anthropology, University of New Mexico

<sup>4</sup>Department of Anthropology, Binghamton University

En este estudio se revisa la hipótesis sobre la supuesta singularidad genética de las poblaciones del Chaco argentino (alta diversidad intragrupal y baja diferenciación intergrupal) a partir del estudio de secuencias de la RHV-I del ADN mitocondrial. El análisis de 204 individuos del Chaco argentino y más de 2000 de diversas poblaciones y regiones de Centro y Sudamérica corrobora y refina los resultados derivados del estudio de haplogrupos mitocondriales: A diferencia de lo observado en otras regiones, las poblaciones del Chaco argentino presentan una gran diversidad genética, conjuntamente con una baja distancia genética entre poblaciones. Estos rasgos configuran un patrón único, que puede ser explicado por la forma de vida de sus habitantes antes del contacto con los europeos y las características de transición geográfica de la región chaqueña. Sin embargo, no pueden excluirse como explicaciones igualmente plausibles un posible error de muestreo o bien la ruptura post contacto de las formas tradicionales de parentesco. En otro orden, la alta variación genética encontrada en la región, geográficamente intermedia dentro de Sudamérica, no se ajusta al modelo que propone la existencia de dos patrones de diversidad genética nítidamente diferentes para las poblaciones nativas del Este y del Oeste del Continente, sostenido por otros autores.