

ASPECTOS LEGALES Y ÉTICOS VINCULADOS CON EL ESTABLECIMIENTO Y USO DE LOS RESERVORIOS Y BANCOS DE ADN HUMANO

Néstor O. Bianchi

GELEG, IMBICE, La Plata. nobianchi@speedy.com.ar

La utilidad de los depósitos de material genético humano para la investigación médica, antropológica y básica es indiscutible. Los repositorios y bancos permiten compartir las muestras entre distintos laboratorios de investigación, efectuar nuevos ensayos moleculares en muestras representativas de distintos grupos étnicos o de diversas enfermedades genéticas o hereditarias, acelerar y abaratar la obtención de resultados evitando la implementación de colectas de material biológico cada vez que se inicia un nuevo proyecto científico. Sin embargo, la organización de un repositorio o banco de material genético es compleja, involucra a varias partes (donantes, representantes legales del repositorio o banco, usuarios del material depositado) y a distintas entidades y organismos públicos y privados con y sin fines de lucro, tales como organismos que proveen los fondos para financiar los bancos y repositorios, entidades sede de los bancos y repositorios, comités de ética encargados de autorizar y monitorear los depósitos de material genético, empresas farmacéuticas que realizan investigaciones con fines de lucro, organizaciones no gubernamentales sin fines de lucro que colectan fondos para el establecimiento de reservorios de material genético destinados a mejorar la asistencia médica de determinadas afecciones. Esta multiplicidad de actores con intereses diversos genera también diversas interpretaciones de las cuestiones éticas y legales relacionadas con los depósitos de material genético, las cuales se hacen evidentes al analizar las recomendaciones sobre el tema que hacen distintas organizaciones internacionales tales como UNESCO, HUGO, OMS, Comités de Ética de la Comunidad Europea y de Australia, “American Society of Human Genetics”, “American College of Medical Genetics”. Sin embargo, las medidas a implementar para asegurar el respeto de estos derechos básicos de todas las partes involucradas varía de acuerdo al tipo de muestra a depositar y a la Organización que elabora las recomendaciones; esto da lugar a distintas interpretaciones sobre el tipo de consentimiento informado a emplear, sobre el eventual uso del material depositado, y sobre la distribución de los eventuales beneficios que pudieran resultar de la comercialización o patentamiento de las muestras. Eiseman ha estimado que en Estados Unidos, en 1999 existían 282

millones de muestras depositadas en bancos y repositorios, que 22 millones era el número promedio de muestras incorporadas anualmente a los reservorios (lo cual para 2006 llevaría a 432 millones el total de muestras depositadas), y que el gasto anual promedio para mantener los repositorios y bancos ascendía a 3 millones de dólares anuales en 1999 (y probablemente a unos 7 millones anuales en 2006). Hirtzlin y col han evaluado 147 bancos de material genético humano distribuido en seis países europeos (Francia, Alemania, Holanda, Portugal, España y Reino Unido) y han encontrado marcadas variaciones en el número de muestras depositadas y en los controles de calidad del material depositado. En Argentina carecemos de información confiable acerca del número de reservorios y bancos de material genético humano existentes, y obviamente carecemos de información acerca del tipo de material depositado y del uso que se hace de este material. Existen aspectos esenciales relacionados con los reservorios y bancos que no están directamente vinculados con las cuestiones éticas y legales del tema, pero que deberían tenerse en cuenta cuando se planifica el establecimiento de un depósito de material genético. Por ejemplo: ¿Cuáles deberían ser los requisitos mínimos que deberían cumplirse para que un depósito de material biológico pueda considerarse reservorio o banco de material genético humano? ¿Cuáles son los objetivos y finalidades de los bancos y las normas de uso del material depositado? ¿Cuáles son los controles de calidad del material depositado? Este último aspecto no solamente es importante para asegurar la preservación en buenas condiciones de las muestras almacenadas, sino también para definir el riesgo implícito en el uso de las mismas. Es común que el material depositado en repositorios y bancos sean muestras de sangre total de la cual se extrae ADN, o que se empleen muestras de sangre para iniciar los cultivos de células inmortalizadas. En estos casos debería indicarse si estas muestras han sido o no testificadas para descartar las infecciones bacterianas o virales más comunes (brucelosis, sífilis, Chagas, hepatitis B y C, SIDA); si estos tests no se han efectuado, las muestras deberían manipularse con las normas de bioseguridad correspondientes. Todos estos aspectos deberían merecer una atención adecuada, especialmente en aquellos proyectos donde se solicita financiación para iniciar o mantener un depósito de material genético. Quizá la conclusión final más importante es que los repositorios y bancos de material genético humano son una herramienta esencial para las investigaciones en Medicina, Antropología, Farmacogenética y Farmacogenómica, pero aún quedan aspectos éticos, legales y técnicos a dilucidar para asegurar el uso apropiado de estos depósitos.

REPRODUCCIÓN TARDÍA Y TRATAMIENTOS DE FERTILIZACIÓN: CONSECUENCIAS BIO-SANITARIAS

Fuster Siebert, Vicente

Dpto. de Zoología y Antropología Física, Fac. de Biología, Univ. Complutense de Madrid
(España).vfuster@bio.ucm.es

A partir de los años 60 se observó, coincidiendo con el desarrollo de técnicas de contracepción eficaces y con la incorporación femenina al mundo laboral, que en algunos países europeos con mayor nivel de bienestar, la edad a la que ocurría la primera maternidad se iba retrasando progresivamente. Es sabido que conforme la edad de la mujer aumenta, además de posibles efectos negativos sobre el recién nacido (bajo peso y prematuridad), su fecundidad disminuye debido, tanto a cambios en la frecuencia de relaciones sexuales, como a una menor fecundabilidad y a una mayor probabilidad de aborto. En ocasiones, se intenta resolver la dificultad de concebir mediante el recurso de técnicas de reproducción asistida. Cabe preguntarse si estas técnicas implican algún riesgo en cuanto a la mortalidad o morbilidad del niño. Diversos estudios han puesto en evidencia que aquellos concebidos por reproducción asistida, acumulan más del doble de defectos congénitos que los fecundados de forma natural. Otra consecuencia negativa es la aparición de gestaciones múltiples, las cuales se asocian con un menor peso al nacimiento y mayor incidencia de prematuros. Además, ya sea por una mayor probabilidad de anomalías congénitas o por otras causas (tales como el síndrome transfusional), las gestaciones múltiples resultan en una mayor frecuencia de pérdidas fetales tardías. Por lo que se refiere a la mortalidad perinatal, la mayoría de los estudios indican un riesgo superior relacionado con los tratamientos de reproducción asistida, debido principalmente, pero no exclusivamente, a la mayor incidencia de múltiples. De todo lo anterior, se concluye la necesidad de planificar el coste sanitario que puede suponer la atención de recién nacidos prematuros y de bajo peso, resultado de una edad de maternidad elevada asociada a tratamientos de reproducción asistida.

NEW VIEWS ON AMERICAN COLONIZATION: CRITICAL TESTS FROM SOUTH AMERICA

O'Rourke, Dennis

Department of Anthropology - University of Utah. dennis.orourke@anthro.utah.edu

The traditional view of colonization of the Americas as a migration across Beringia and subsequent dispersal southward following the last glacial maximum is being increasingly questioned. In North America, archaeological links to Siberia are tenuous and genetic data are more consistent with an earlier entry of people into the Americas, from Central rather than Northeast Siberia. An entry of populations into the Americas prior to the last glacial maximum forces a reconsideration not only of timing, but also geographic points of entry and speed of dispersal, based on ecological theory. A number of emerging alternative hypotheses on the colonization of the Americas predict early entry and dispersal of people into South America - earlier than, or coeval with, initial dispersal in North America. The study of genetic, morphological, and archaeological variation across South America is critical to testing these new, alternative hypotheses of Native American origins. I will review the evidence for emerging, alternative views of American Colonization, and suggest ways in which data from South American populations and prehistory will be crucial in testing them.

GENEALOGÍA MOLECULAR DE LOS DESCENDIENTES DEL MARQUÉS DE YAVI

Alfaro, EL¹; Muzzio, M²; Ramallo, V²; Dipierri, JE¹; Bailliet, G²

¹INBIAL - UNJu, ²IMBICE. ealfaro@inbial.unju.edu.ar

El título nobiliario de Marqués del Valle del Toxo, conocido comúnmente como Marqués de Yavi, era el más importante en el territorio del virreinato del Río de la Plata y se extendía por toda la Puna argentina y diversos municipios de Bolivia. Hubo cuatro marqueses desde su creación en 1708 por la Real Cédula emitida por Felipe V, rey de España, hasta su disolución en 1820 luego del fallecimiento del cuarto marqués Juan José Feliciano Fernández Campero. La abundancia de referencias históricas sobre el Marquesado de Yavi, el reciente interés político por recuperar la figura histórica del último Marqués sumado al encuentro social de sus descendientes ofreció la extraordinaria posibilidad de realizar una reconstrucción detallada de la genealogía de la familia Campero y relacionarla con el estudio molecular de sus descendientes. Se analizaron muestras de 30 individuos Campero a través de 6 microsátélites del cromosoma Y (DYS:19, 389a y b, 390,392,393) Se encontraron 8 linajes paternos bien definidos, 16 muestras comparten un linaje único, el segundo linaje congrega a 5 individuos, el tercero y cuarto linaje cuentan con 2 individuos cada uno y en 5 muestras se encontraron linajes individuales no relacionados con los anteriores. De estos resultados se interpreta que en la Genealogía Campero coexisten linajes diferentes, de los cuales uno de ellos, el mayoritario, probablemente sea el linaje fundador de esta genealogía. Se discuten estos resultados a la luz de la información genealógica e histórica.

Palabras clave: genealogía, Cromosoma Y, Marqués de Yavi, Campero

MARCADORES ANCESTRALES CULTURALES Y GENÉTICOS: INVESTIGACIÓN DE APELLIDOS MAPUCHE

Corach, D; Sala, A; Marino, M; Bravi, C; Bobillo, MC

Servicio de Huellas Digitales Genéticas and cátedra de Genética y Biología Molecular, Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires, Argentina. IMBICE, 1900La Plata Argentina.

Las comunidades aborígenes que habitan las regiones andinas se caracterizan por haber conservado elementos lingüísticos originarios en sus apellidos. Estos han sufrido procesos de “occidentalización”, manteniendo, no obstante, rasgos etnia-específicos. Tal situación permite disponer de un criterio simple para identificar con cierto grado de certeza la ancestralidad de un individuo. Con el objeto de evaluar el grado de correlación entre este marcador cultural y marcadores genéticos hemos llevado a cabo una investigación con individuos varones no relacionados provenientes de las provincias de Río Negro y Chubut (N=136). Los donantes se seleccionaron de acuerdo a la presencia de elementos lingüísticos Mapuche en sus apellidos e individuos con apellidos europeos. Se emplearon tres criterios de clasificación: apellidos, presencia del haplogrupo Q-M3 y presencia de Haplogrupos mitocondriales amerindios (ABCD). Los grupos clasificados de acuerdo con estos criterios fueron analizados mediante 15 STRs autosómicos y 9 Y-STRs. En ambas provincias más del 95% de los individuos portadores de apellidos Mapuche exhibían hgs matrilineales y/o patrilineales amerindios. Por otro lado, en Río Negro y Chubut sólo 18 y 17%, respectivamente, no exhibieron ni apellidos ni marcadores genéticos asociables con ancestros amerindios; en éstos los hgmt más representados fueron H (6.5%), U5 (4.3%) y K (2.8%), seguidos por T (1.4%), V (0.7%), X (0.7%) y M (0.7%). También fue detectado el hg Africano en baja frecuencia (1.4%). Nuestros resultados confirman una correlación estrecha entre apellidos Mapuche y polimorfismos genéticos étnia-específicos.

LINAJES HOLÁNDRICOS EN LOS CASTILLA ARGENTINOS

*Dipierrri, José E**; *Mesa, María S***; *Alfaro, Emma L**;
*López-Parra, Ana M***; *Arroyo-Pardo, Eduardo***

*INBIAL.UNJU. Argentina; **Universidad Complutense de Madrid. España.
dipierrri@inbial.unju.edu.ar

El polifiletismo representa un factor importante en el estudio isonímico de las poblaciones latinoamericanas. Debido a que los apellidos no constituyen una variable estrictamente biológica pueden estar sometidos a influencias culturales y al igual que los genes tienen la probabilidad de cambiar o mutar, por ilegitimidad o adopción o por variaciones en la grafía o pronunciación. La identificación de linajes moleculares holándricos específicos del apellido Castilla en españoles ofrece la posibilidad única de examinar la distribución de estos linajes en individuos de poblaciones mestizas latinoamericana portadores de este apellido. Con el objetivo de analizar el origen del apellido Castilla en Argentina, en este trabajo se presenta la metodología seguida para la conformación de una muestra de 35 individuos con este apellido y se discuten los resultados preliminares del estudio de los Y-STRs (DYS19, DYS389I/II, DYS390, DYS391, DYS392, DYS393, DYS385) que se comparan con la variabilidad genética del cromosoma Y encontrada en individuos Castilla repartidos en la geografía española.

Palabras clave: haplotipos Y-STRs - apellido Castilla - España - Argentina

LINAJES PATERNOS Y APELLIDOS EN GENEALOGÍAS Y POBLACIONES HUMANAS

Bailliet, G¹; Muzzio, M¹; Ramallo, V¹; Alfaro, EL²; Dipierri, JE²; Bianchi, NO¹

¹IMBICE. ²INBIAL – UNJu. gbailliet@imbice.org.ar

En comunidades pequeñas o aisladas es posible identificar relaciones de parentesco paterno a través de marcadores moleculares del cromosoma Y. En este trabajo se analiza la correlación entre apellidos e identidad molecular de los cromosomas Y en 14 muestras provenientes de individuos de una genealogía extensamente documentada de La Rioja (Aicuña), 59 de una población aislada y pequeña de Catamarca (Azampay) y 92 provenientes de 3 capitales del NOA (Salta, Catamarca y Tucumán). Se utilizaron 11 marcadores SNP y 7 microsatélites (DYS19, 389 a y b, 390, 391, 392 y 393) del cromosoma Y para caracterizar haplogrupos y haplotipos, que otorgan alta definición para identificar linajes emparentados. La concordancia entre apellidos y haplotipos en la genealogía fue del 60%, en la población aislada fue del 27% y en las 3 ciudades del NOA tomadas en conjunto fue el 3.3%. Los tres grupos se diferenciaron en frecuencia y número de apellidos y de haplotipos. La diversidad de haplotipos fue mayor al 76% en las tres poblaciones. La diversidad de apellidos fue 0.36 en la genealogía, 0.87 en la población aislada y 0.97 en el NOA. Estos resultados muestran que el aumento del tamaño poblacional y fenómenos migratorios disminuyen las posibilidades de encontrar concordancias entre apellidos y linajes paternos. Posiblemente mecanismos como el bautismo y la herencia materna del apellido también contribuyan a esta discordancia.

Palabras clave: genealogías, apellidos, linajes paternos, cromosoma Y / Genealogy, surnames, paternal lineages, Y chromosome

EL APELLIDO CASTILLA Y LINAJES DEL CROMOSOMA Y EN UNA SERIE DE VARONES PROCEDENTE DE ESPAÑA

*Mesa, María S**; *López Parra, Ana M**; *Dipierri, José E***; *Alfaro, Emma L***;
*Arroyo-Pardo, Eduardo **

*Universidad Complutense de Madrid. España. **INBIAL.UNJU. Argentina;
mesa@bio.ucm.es

La identificación de variantes polimórficas en la parte no recombinante del cromosoma Y ha abierto campos de investigación muy importantes y con una orientación totalmente nueva en el estudio de la variabilidad humana. Este es el caso de los estudios genealógicos. En términos generales, puede suponerse que cuando hay una transmisión patrilineal de los apellidos existe una relación apellido-cromosoma Y. Resulta de gran interés, y en España es un aspecto hasta ahora no contemplado, el establecimiento del grado de concordancia entre la posesión de un determinado apellido en individuos varones y la identidad de haplotipos del cromosoma Y. En concreto, se está llevando a cabo un estudio del apellido Castilla, es decir, se están localizando varones cuyo primer apellido es Castilla y se está realizando a la vez el análisis de su cromosoma Y, para ver en qué grado la identidad de apellidos coincide con la identidad del cromosoma Y. Los resultados pondrán en evidencia la validez de los supuestos previos en que se basan los estudios genéticos a partir de los apellidos, al menos para el apellido elegido, y, también, intentarán establecer los orígenes de los diferentes grupos de “Castillas” repartidos por España, así como las posibles relaciones entre ellos.

Palabras clave: haplotipos Y-STRs - apellido Castilla - España

GENEALOGÍAS Y LINAJES MOLECULARES EN AZAMPAY

Ramallo, V¹; Salceda, S²; Zubrzycki, B²; Bravi, C¹; Bailliet, G¹

¹IMBICE. ²Museo de La Plata. vramallo@yahoo.com

Los marcadores moleculares de herencia uniparental permiten identificar linajes y determinar la ancestralidad continental de una población determinada. Se estudiaron los linajes maternos y paternos en Azampay, provincia de Catamarca. Esta comunidad rural semiaislada cuenta en la actualidad con 180 habitantes estables, lo que posibilita realizar estudios evitando sesgos de muestreo. La ocupación de estos campos comuneros data de 1900. Hoy se registran diez apellidos, siete de ellos presentes desde 1925. Contando con las genealogías orales completas, se seleccionaron 27 muestras para identificar linajes maternos, secuenciando la Región Control completa del ADN mitocondrial. Para analizar los posibles linajes paternos, se seleccionaron 59 muestras masculinas, utilizando 8 marcadores SNPs, 1 indel y 7 microsatélites del cromosoma Y. El 100% de los linajes maternos es de origen americano. Los 20 haplotipos masculinos determinados señalan una variabilidad no registrada en los apellidos. Se identificó el haplogrupo amerindio QM3 (11,86%) y los de procedencia extra continental R1 (76,27%), F (3,38%) y YAP (1,69%). El modelo familiar es el de familia extensa, pero de características no tradicionales, registrándose un importante índice de herencia del apellido materno. No se verificó el supuesto de base del método isonímico, ya que 8 de los 10 apellidos resultan polifiléticos.

Palabras clave: haplogrupos, haplotipos, método isonímico.

MIGRACIÓN - DERIVA: PUNA (SALTA)

Acreche, Noemí^{1,2,3}; Curti, Néstor Ramiro³; Albeza, Ma Virginia^{1,2,4}

¹Cát. Fundamentos de Antropología Biológica. Fac. Humanidades, UNSa. ²CIUNSa. ³Cát. Evolución. Fac. Cs Naturales, UNSa. ⁴Cát. Bioantropología. Fac. Cs Naturales, UNSa. acreche@unsa.edu.ar

Se estudió la relación migración - deriva en tres poblaciones puneñas (Cobres, Santa Rosa de los Pastos Grandes y Tolar Grande). Se construyeron las correspondientes matrices de migración progenitor - descendiente. Se partió de las frecuencias alélicas en 8 loci de grupos sanguíneos eritrocitarios (L*M, L*S, Di*B, P1, C, D, E y k) y se las proyectó 250 generaciones. Si bien las poblaciones estudiadas, desde el punto de vista de la demografía genética presentan coeficientes de aislamiento reproductivo que indican fuerte sujeción a la deriva (la migración efectiva no es suficiente para compensar los bajos efectivos poblacionales), con ayuda de este modelo se verifica que en muy pocas generaciones es factible llegar al equilibrio.

Palabras clave: matrices de migración, deriva génica, grupos sanguíneos, equilibrio.

Keywords: matrix migration, genetic drift, blood groups, equilibrium.

LA VERIFICACIÓN DE LOS DATOS EN BIODEMOGRAFÍA: EL EJEMPLO DE VILLA SORIANO, URUGUAY

*Barreto, Isabel*¹; *Colantonio, Sonia*²; *Sans, Mónica*¹

¹Departamento de Antropología Biológica, FHCE, Universidad de la República, Uruguay,

²Cátedra de Antropología Biológica y Cultural, FCEFyN, Universidad Nacional de Córdoba, Argentina. loumes@yahoo.com

La población de Villa Soriano (Departamento de Soriano, Uruguay), fue fundada como una reducción indígena en el siglo XVII. En la misma se analizaron desde el año 2000 distintos aspectos de la población, determinándose, a pesar del descenso demográfico que ha tenido la población, la presencia de descendientes indígenas. El presente trabajo tiene como objetivo discutir a partir de un caso concreto, la verificación de la información en Biodemografía. Los estudios realizados en Villa Soriano permitieron la reconstrucción genealógica de 265 familias, ubicándose a partir de la información familiar y la de archivos hasta 13 generaciones a partir del presente. La reconstrucción de genealogías, utilizando GenePro, permitió detectar nueve linajes indígenas, muchos de los cuales provienen de los fundadores de la antigua reducción; es escasa la presencia de linajes de origen africano. Los análisis de ADNmt realizados en los 2 casos que tenían ancestría materna indígena, corroboraron la reconstrucción genealógica realizada: charrúa en un caso, guaraní en otra. A partir de los resultados, se discute la metodología empleada y su aplicación en estudios poblacionales.

Palabras clave: reconstrucción genealógica, linajes indígenas.

Keywords: genealogical reconstruction, Native American lineages.

EL REGISTRO PARROQUIAL DE BAUTISMOS, MATRIMONIOS Y DEFUNCIONES EN EL CURATO DE RÍO CUARTO ENTRE LOS SIGLOS XVIII Y XIX

Cocolovo, JA'

¹Departamento de Ciencias Naturales, Universidad Nacional de Río Cuarto, (5800) Río Cuarto. jcocolovo@exa.unrc.edu.ar

Trabajo realizado con fondos UNRC, CONICET y FONDECYT

El Curato de Río Cuarto, es una división administrativa eclesiástica creada en 1731, la cual fue redefinida a fines de 1749 al sur del arroyo Tegua separándola del Curato de Calamuchita. Una de las tareas desarrolladas por estas unidades eclesiásticas era la de administrar los sacramentos y llevar registros de los matrimonios, bautismos y defunciones producidos en su jurisdicción. Además de la primera noticia producida por Fassi (1945, 1946) y Fourcade, (1986, 1991 y 1993), hasta la fecha no existen otros trabajos sobre estas fuentes documentales lo cual estimuló la realización de este trabajo para evaluar la posibilidad de obtener información para realizar inferencias demográficas. El presente constituye un sencilla descripción de la información recuperada. La base de datos fue transcrita y grabada en archivos del programa Excel TM, asignando un número de orden a cada evento y a continuación un conjunto de atributos característicos. El análisis es realizado en función del tiempo (anual y estacional), de la edad, el sexo, el estado civil de los sujetos, nacionalidad y etnia, legitimidad y condición jurídica, lugar de origen, padre, madre, cónyuge, causa de muerte, etc. La representación de cada atributo varía entre el 10 y el 100 %. Desde 1743 hasta 1854, la cantidad de bautismos registrados es de 4938 registros, de matrimonios de 1022 y de defunciones de 2518. En general se observa una gran variabilidad del registro anual de los eventos, con extensos intervalos en blanco y omisiones de atributos básicos, conformando bases de datos muy fragmentarias y con un bajo nivel de cobertura con respecto a la población real. A pesar de esto, se presenta la mayor cantidad de información que fue posible extraer y una evaluación objetiva de su calidad para la realización de futuros trabajos de demografía histórica.

MIGRACIÓN DE GRUPOS EN CÓRDOBA COLONIAL

Colantonio, Sonia^{1,2}; *Fuster, Vicente*³; *Arias Toledo, Bárbara*^{1,4};
Küffer, Claudio^{1,5}

¹Cát. Antropología. Fac. Cs. Exactas, Físicas y Naturales, UNC. ²CONICET. ³Depto. Zoología y Antropología Física, Univ. Computense Madrid. ⁴Becario CONICET. ⁵Becario ANPCyT. scolanto@gtwing.efn.uncor.edu

Pocas fuentes de datos permiten obtener estimas de migración poblacional, siendo los censos una de ellas. Otra fuente son los apellidos, que permiten estimas menos sesgadas que los censos y diferenciar la migración acumulada y reciente. Se analiza la migración entre distintos curatos de Córdoba a partir de los datos del Censo de 1813. Las estimas se discriminan por grupo etno-social y sexo, y se comparan los resultados de los apellidos con los derivados del censo. Se observa estrecha coincidencia entre los patrones de migración de blancos y población mestizada, mostrando desplazamientos hacia zonas rurales con escasa población. Los mestizos presentan un alto grado de movilidad llegando a superar la de blancos, principalmente en épocas cercanas al censo. Se observan casi idénticos patrones de migración en hombres y mujeres, y cercanos en magnitud. Se concluye la existencia de un gran movimiento migratorio en el momento considerado -el cual no había sido estimado hasta la fecha- que implica casi por igual a hombres y mujeres. Al comparar con los datos censales, surge un patrón muy semejante al obtenido con apellidos, y las estimas de los niños migrantes permiten postular que se trata de un desplazamiento de grupos familiares, hecho que no había sido considerado hasta la fecha.

Palabras clave: migración, apellidos, Córdoba Período Colonial.

Keywords: migration, surnames, Colonial Period Córdoba.

DEMOGRAPHIC HISTORY AND GENETIC STRUCTURE OF THE WELSH SETTLEMENT IN PATAGONIA (1865 - 1920)

*Crognier, E**; Caratini, A**; Carnese, FR**; Dahinten, S*** ****; Gavirati, M****

*UMR 6578 du CNRS – Université de la Méditerranée

**Sección de Antropología Biológica ICA - Fac. Filosofía y Letras, Universidad de Buenos Aires

***Centro Nacional Patagónico (CONICET)

****Universidad Nacional de la Patagonia SJB (Chubut)

Although migrations have been thoroughly studied, still little is known about colonization processes. This study analyses the demographic and genetic structures of a colonization process. All the Welsh migrants to the Chubut (Argentina) from year 1865 until year 1925 were identified and their contribution to the gene pool of the colony estimated from genealogies. Three waves of immigration which arrived in 1865, 1874 and 1886 were the main population component, besides a high fertility. In 1868 the population was principally composed of reproductive adults. In 1876, young children and reproductive adults dominated. In 1895 it was a typical young population. In 1920 an ageing trend was already perceptible. The origins of the settlers were so varied that the colony may be considered a sampling at random in the Welsh gene pool. 40% of the founders did not contribute genes. The settling of the Welsh in the Chubut presents two characteristics that may be common to any colonization process: (1) the evolution of the demographic structure from a predominantly young adult male composition to a balance in both sexes and ages. (2) The ‘genetic cost’ resulting from the loss of the genes of some of the founders.

Palabras clave: Welsh, colonization, Patagonia, demography, population genetics

CONSANGUINIDAD Y SUBDIVISIÓN POBLACIONAL EN ESPAÑOLES DE CÓRDOBA A FINES DEL SIGLO XVIII

Küffer, Claudio F^{1,2}; Colantonio, Sonia E^{1,3}; Fuster, Vicente⁴

¹Cátedra de Antropología, Fac.de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales, Univ.Nac.de Córdoba. scolanto@gtwing.efn.uncor.edu

²CONICET. ³Becario FONCYT. ⁴Fac. de Biología, Dpto.de Zoología y Antropología Física, Universidad Complutense, Madrid. España.

La isonimia es frecuentemente utilizada para efectuar estimaciones de consanguinidad. A su vez, el método de los pares repetidos permite inferir si la población en estudio presenta subdivisión. Ambos métodos pueden aplicarse a registros de población en que se detallan los apellidos de los cónyuges, como el censo de 1795 para la provincia de Córdoba, que se analiza en este trabajo. Se consideró aquí el grupo etno-social de los “españoles”, numéricamente mayoritario en el registro. Con el objeto de estimar la consanguinidad, se realizaron análisis mediante isonimia tanto a escala provincial como a nivel de las unidades administrativas (curatos) individuales. Para apreciar qué tan diferenciadas genéticamente estaban aquéllas se estimó el F_{st} promedio, y para conocer si existió subdivisión poblacional dentro de las unidades de análisis se aplicó la metodología de pares repetidos. A nivel provincial, se observó que la población analizada presentaba baja consanguinidad y diferenciación promedio. A escala de curatos no se manifestó preferencia por cónyuge con el mismo apellido, a la vez que se evidenció subdivisión poblacional en casi todos ellos. Estos resultados parecen reflejar una estrategia tendiente a preservar alianzas familiares evitando al mismo tiempo uniones consanguíneas.

Palabras clave: apellidos, españoles, Córdoba Período Colonial.

Keywords: surnames, Spanish, Colonial Period Córdoba.

DISTANCIA Y GENÉTICA - SALTA

Albeza, María V^{1,2,4}; Acreche, Noemí^{1,2,3}; Ramón, M Misericordia⁵; Picornell, Antonia⁵; Castro, José A⁵

¹Cát. Fundamentos de Antropología Biológica. Fac. Humanidades, UNSa. ²CIUNSa. ³Cát. Evolución. Fac. Cs Naturales, UNSa. ⁴Cát. Bioantropología. Fac. Cs Naturales, UNSa. ⁵Laboratori de Genètica, Universitat de les Illes Balears, España. mvalbeza@unsa.edu.ar

Se calcularon diferentes coeficientes de distancia genética y a partir de las matrices se elaboraron los dendrogramas correspondientes. Se incluyeron en el análisis cinco poblaciones de la provincia y se consideraron once STRs autosómicos. Se amplió el análisis a 16 poblaciones (siete de la provincia y nueve de diferentes regiones del país) cuando se incorporaron datos de la bibliografía, reduciéndose a 9 el número de loci comunes utilizados en la estimación de las diferentes medidas de distancia. Las representaciones gráficas no reflejan las vinculaciones esperadas en función de sus proximidades geográficas, con una amplia gama de asociaciones reflejando inconsistencias entre las mismas. De acuerdo al test de Mantel, no existe correlación con la matriz de distancia geográfica en cada caso ($0,23 < r < 0,40$) con niveles de significación que varían entre 0,22 y 0,98 por lo que las distancias genéticas no tienen relación con la proximidad geográfica entre poblaciones. Tampoco existe correlación entre STRs y otros marcadores genéticos para localidades de la provincia ($r = 0,10163$; $t = 2,3918$, $p = 0,9916$).

Palabras clave: STRs, distancia genética, distancia geográfica, Puna, Valle Calchaquí.

Keywords: STRs, genetic distance, geographic distance, Puna, Calchaquí Valley.

MEZCLA GÉNICA Y LINAJES UNIPARENTALES EN COMODORO RIVADAVIA (PROV. DE CHUBUT, ARGENTINA)

*Avena, S A¹⁻³; Parolin, M L¹; Dejean, C¹; Goicoechea, A.¹⁻³; Ríos Part,
M del C²; Fabrikant, G¹; Carnese, FR¹*

¹ Secc. Antropología Biológica. ICA. FFyL. UBA. antbiol@filo.uba.ar. ²Div. Oncología, Hemoterapia y Hematología. Htal. Regional, Comodoro Rivadavia. ³CONICET.

En este estudio nos propusimos: 1) estimar la mezcla génica en una muestra de Comodoro Rivadavia analizando 6 sistemas sanguíneos en 72 dadores de sangre, no emparentados, que concurrieron al Hospital Regional, 2) evaluar la contribución de los linajes maternos y paternos amerindios a partir del estudio del ADN mitocondrial y Cromosoma Y. Las frecuencias génicas se calcularon con métodos de máxima verosimilitud para los marcadores proteicos y por conteo directo para los uniparentales. La mezcla génica se estimó mediante el Programa ADMIX. Se obtuvieron datos genealógicos e informes sobre lugar de residencia y origen de los donantes. Se registró un 37% de aporte indígena y un 4% de africano. A un origen amerindio fueron adscriptos el 70% de los linajes maternos y el 6% de los paternos. Esta diferencia en la contribución genética sexo-específica estaría revelando un aporte asimétrico por género en la historia de esta población. Se comparan estos resultados con los obtenidos con anterioridad en Buenos Aires y Bahía Blanca.

Palabras clave: Patagonia, mezcla génica, linajes uniparentales.

Keywords: Patagonia, admixture, uniparental lineages.

Apoyo Financiero: CONICET y UBACyT.

DISTRIBUCIÓN DE LINAJES PARENTALES NATIVOS EN POBLACIONES DE LA PROVINCIA DE CÓRDOBA

Demarchi, Darío A; García-Ministro, Angelina

Museo de Antropología, FFyH UNC, CONICET. dariodemarchi@gmail.com

Se realiza la tipificación molecular de una muestra de 269 habitantes “criollos” de distintas localidades de la provincia de Córdoba en los marcadores que determinan los haplogrupos/linajes mitocondriales amerindios y en los marcadores M3 (DYS199*T) y M242, diagnósticos de linajes paternos amerindios. El 80 % de la muestra total pudo ser asignado a uno de los cuatro linajes maternos amerindios. Esta proporción no muestra diferencias significativas entre las localidades relevadas (Test exacto $p > 0,05$), variando entre 90% en Villa Dolores y 70% en Chancaní. La distribución de haplogrupos entre regiones resultó similar, siendo casi siempre el haplogrupo C el más frecuente. Por otra parte, sólo el 6% de los varones investigados poseen la variante DYS199*T, característica de amerindios. En ninguna de las muestras masculinas se observó en el polimorfismo M242 la variante observada en americanos. Los resultados muestran un patrón, que parece ser regla general en Sudamérica, según el cual las mujeres nativas y los inmigrantes varones fundaron las bases genéticas de las poblaciones. La evidencia genética indica que, simultáneamente con el colapso de las poblaciones aborígenes después de la Conquista, existió una virtual asimilación de las poblaciones nativas en la población “criolla” a través de sus mujeres, mientras que la mayoría de los linajes paternos se perdieron.

Palabras clave: ADNmt, Cromosoma Y, contribución asimétrica

Keywords: mtDNA, Y Chromosome, Asymmetric contribution

DIFERENCIACIÓN DE LA POBLACIÓN URUGUAYA ACTUAL: LO QUE DICEN LOS MARCADORES GENÉTICOS

Hidalgo, Pedro C; Bengochea, Milka; Alvarez, Inés

Laboratorio de Histocompatibilidad y Inmunogenética, Instituto Nacional de Donación y Transplante (INDT), Hospital de Clínicas, Uruguay. phidalgo@montevideo.com.uy

Durante las últimas décadas los movimientos migratorios internos han configurado cambios importantes en la población uruguaya, con una clara tendencia al incremento de los centros urbanos a expensas del medio rural. Estos movimientos poblacionales han contribuido a un complejo proceso de amalgamamiento que se ha evidenciado en las características de la capital (Montevideo) y los departamentos limítrofes. En este estudio proponemos analizar tres sistemas genéticos (HLA, ABO y Rhesus) para comparar la población uruguaya de diferentes áreas de acuerdo a su lugar de nacimiento. Para esto, se analizó una muestra de 400 individuos separados en tres regiones: Montevideo, sur (departamentos limítrofes a Montevideo), y norte del país. Los resultados muestran una baja pero significativa diferenciación de Montevideo con las otras regiones de país, lo cual se evidencia en los valores de G_{st} y de distancia genética. Puede concluirse que la ciudad de Montevideo presenta patrones diferenciales que no se observan en los departamentos limítrofes, mientras que evidencias indirectas muestran un flujo indirecto de la región norte hacia la capital.

Palabras clave: diferenciación genética, marcadores genéticos clásicos, población uruguaya.

Keywords: genetic differentiation, classic genetic markers, Uruguayan population.

EVALUACIÓN DE LA SUBESTRUCTURA GENÉTICA EN LA POBLACIÓN ARGENTINA EVALUADA POR STRS AUTOSÓMICOS E Y-STRS

Marino, Miguel; Bobillo, Cecilia; Sala, Andrea; Corach, Daniel

Servicio de Huellas Digitales Genéticas y Cátedra de Genética y Biología Molecular, Facultad de Farmacia y Bioquímica-UBA

El análisis de linajes uniparentales permitió, anteriormente, establecer el aporte relevante de las poblaciones originarias al acervo génico de la actual población argentina. Para investigar si nuestra población se encuentra subestructurada analizamos un conjunto de 15 STRs autosómicos (N=5.282) y 9 Y-STRs (N=1.136). Las muestras fueron tomadas de áreas urbanas de 10 provincias: Buenos Aires, Santa Fe, Mendoza, Río Negro, Chubut, Misiones, Formosa, Chaco, Corrientes y Salta, incluyéndose además muestras de Pilagá, Toba y Guaraníes, con fines comparativos. Determinamos las frecuencias alélicas, genotípicas y haplotípicas, evaluándose el equilibrio de Hardy-Weinberg en los sistemas autosómicos. Evaluamos la Varianza Molecular (AMOVA) y determinamos la distancia genética mediante F_{st} , entre las poblaciones muestreadas. Los resultados emergentes del análisis de marcadores autosómicos indican que las distancias genéticas no presentan diferencias significativas entre la mayoría de las poblaciones analizadas, siendo Salta la única que difiere significativamente con respecto a las demás provincias (F_{st} : 0.00484-0.01601, p : 0.0498-0.0000). A partir de los resultados de Y-STRs determinamos una Diversidad Haplotípica de 0.9967, que exhibe además una notable homogeneidad en la distribución haplotípica determinada por AMOVA, no obstante, cierto grado de subestructura genética pudo ser detectada en la región Norte, en particular en la provincia de Salta, coincidiendo con los resultados de autosómicos. El análisis de distancia genética permite establecer tres grupos uno de los cuales incluye a la población de Salta junto con los grupos amerindios analizados. Los resultados obtenidos resaltan el interés de las poblaciones del NOA en las que se destaca el componente autóctono de nuestra población.

DEMOGRAFÍA Y DISTRIBUCIÓN DE HAPLOGRUPOS MITOCONDRIALES DURANTE LA DISPERSIÓN INICIAL EN LAS AMÉRICAS

*Dejean, Cristina B^{1,2}; Lanata, José L^{2,3,4}; Martino, Luis^{4,5};
Carnese, Francisco R^{1,2}; Osella, Ana^{4,5}*

¹Sec. Antropología Biológica, Instituto de Cs. Antropológicas, Fac. de Fil. y Letras, UBA,

²Cebbad, F.F. de Azara, ³Dep. de Antropología, Fac. de Fil. y Letras, UBA, ⁴CONICET, ⁵Dep. de Física, F. de Cs. Exactas y Naturales, UBA.

Se realizaron simulaciones con el objetivo de estudiar la distribución demográfica y la variabilidad mitocondrial en América. El modelo se basa en una dispersión de tipo estocástico en un medio anisótropo, estando la misma delimitada por los ambientes en los cuales se encuentran las poblaciones. Cada una de las variables que definen a cada individuo son elegidas al azar en el momento de su nacimiento: probabilidad de ser hombre o mujer, en caso de ser mujer si será fértil o no, la esperanza de vida de cada individuo y probabilidad de poseer un determinado haplogrupo mitocondrial. Las simulaciones consideran la heredabilidad de los haplogrupos y las mismas se realizan basadas en reconstrucciones paleo ambientales entre los años 18000 rcybp y los 9000 rcybp. Los resultados muestran que existen diferencias significativas entre la cantidad y distribución de los haplogrupos presentes en cada uno de las regiones de estudio (Norteamérica, Sudamérica y Tierra del Fuego). Las diferentes simulaciones indican que las diferencias en la distribución de los haplogrupos en las Américas estarían relacionadas a la presencia de los cuellos de botella que separan los hemicontinentes y no a factores culturales, ni a mecanismos como la selección natural. Los datos se comparan con la distribución actual de haplogrupos mitocondriales en el continente americano.

DIVERGENCIA GENÉTICA EN POBLACIONES PREHISTÓRICAS DEL ÁREA ANDINA CENTRO MERIDIONAL

Varela, HH¹; Cocilovo, JA¹; O'Brien, TG²

¹Departamento de Ciencias Naturales, Universidad Nacional de Río Cuarto, (5800) Río Cuarto. hvarela@exa.unrc.edu.ar.

²Department of Sociology, Anthropology and Criminology, University of Northern Iowa, Baker 356, Cedar Falls, Iowa.

Trabajo realizado con fondos UNRC, CONICET y FONDECYT

La historia del poblamiento del Área Andina Centro Meridional estuvo determinada por un conjunto de factores culturales, económicos y biológicos que influyeron en la estructura de la población y determinaron una particular dispersión de las frecuencias génicas. En este trabajo se presenta el análisis de una extensa muestra representada por 1586 individuos de ambos sexos del Norte de Chile, N.O. Argentino, y los Valles del este de Bolivia (ca 3000 aC-1500 dC). La variación dentro y entre poblaciones es evaluada dentro del marco de la teoría de la genética de poblaciones mediante caracteres cuantitativos del cráneo y la aplicación de diferentes técnicas estadísticas de análisis multivariado. Los resultados indican que los habitantes de los valles de Cochabamba (Bolivia) estuvieron más emparentados con los del Norte de Chile y N.O. Argentino que los de estas subáreas entre sí. Se observa una divergencia genética promedio para el Área Andina Centro Sur de 0.195, presentando el NOA el mayor aislamiento espacial ($F_{ST} = 0.143$) y el Norte de Chile el más bajo ($F_{ST} = 0.043$). Además, se demuestra un mayor aislamiento temporal de los grupos que habitaron los oasis de Atacama ($F_{ST} = 0.031$) y la Costa de Azapa ($F_{ST} = 0.04$) que los del Valle de Azapa ($F_{ST} = 0.026$). Estas evidencias confirman un proceso de poblamiento basado en la dispersión de varias líneas a partir de una misma población ancestral, las cuales se diferenciaron en el espacio y el tiempo dependiendo del tamaño efectivo y de la tasa de flujo génico entre ellas.

Palabras clave: F_{ST} , relaciones biológicas, Norte de Chile, N.O. Argentino, Valles de Cochabamba, caracteres cuantitativos.

VARIACIÓN ANTROPOMÉTRICA Y NUTRICIONAL EN SUSQUES Y ALTO COMEDERO ENTRE 2002-2007

Bejarano, Ignacio F¹; Romero Moreno, Susana²; Alfaro, Emma L¹; Cabrera, Graciela¹; Dipierri, José¹; Marrodan Serrano, María D²

¹INBIAL - UNJU. ²Universidad Complutense de Madrid. bejarano@inbial.unju.edu.ar.

Las poblaciones humanas experimentan variaciones de los parámetros antropométricos como expresión de los cambios socioambientales. El objetivo de este trabajo fue analizar la variación temporal de talla, peso y estado nutricional en dos poblaciones jujeñas situadas a distintos niveles altitudinales. Los datos procedieron de mediciones realizadas en 2002 y 2007 en poblaciones de 6 a 17 años de Susques (3500 m) y Alto Comedero (1200 m). Se calcularon las categorías nutricionales de Waterlow y las diferencias entre talla y peso y categorías nutricionales se establecieron con ANOVA y prueba de comparación de proporciones (χ^2) respectivamente. Para ambas poblaciones se observaron diferencias interanuales estadísticamente significativas de los promedios de talla y peso, siendo menores en Susques en el 2007, lo contrario sucede en Alto Comedero. Las diferencias interanuales de la categorías nutricionales no fueron estadísticamente significativas en Alto Comedero, pero sí en Susques para normonutridos y obesos que disminuyeron y aumentaron respectivamente entre 2002 y 2007. En el contexto de las modificaciones socioeconómicas experimentadas por la población susqueña en los últimos años, debido a su mayor conexión e integración con poblaciones vecinas por la apertura del Paso de Jama, los resultados indicarían un empeoramiento de las condiciones nutricionales de su población infanto juvenil.

Palabras clave: Susques - Alto Comedero - Peso - Talla - Nutrición

MALNUTRICIÓN EN LA ADOLESCENCIA. ANÁLISIS TEMPORAL EN LA PROVINCIA DE CATAMARCA

*Lomaglio, Delia B¹; Verón, Juan A¹; Marrodán, María D²; Dip, Norma B¹;
Alvarez, Gladys¹; Díaz, María C³; Alba, José²*

¹Centro de Est. de Antr. Biológica, Fac. Cs. Ex. y Nat., UNCa. ²Dpto. Zoología y An-
trop. Física. UCM. España. ³Dirección Provincial de Estadística y Censos, Catamarca.
delilomaglio@yahoo.com

Una situación frecuente en sociedades actuales es la coexistencia de estados malnutritivos, como consecuencia de los cambios en los estilos de vida, que se manifiestan con características particulares según la sociedad de la que se trate. En la provincia de Catamarca, considerada entre las de mayores carencias estructurales en el país, se analizó la tendencia de peso, talla e índice de masa corporal (IMC) de 1611 adolescentes, en tres períodos (1980, 1990 y 2000), observándose diferencias significativas. Se calcularon prevalencias de bajo peso para talla, sobrepeso y obesidad, en base a curvas percentiladas del IMC, utilizando las referencias del Nacional Center for Health Statistics (NCHS) y la Internacional Obesity Task Force (IOTF). Hubo incremento particularmente en los promedios de peso e IMC, más importantes en el presente siglo, con diferencias por sexo y mayor en los varones. La desnutrición ha tenido un leve incremento, mayor en mujeres, al igual que el sobrepeso, particularmente en la última década, en tanto que la obesidad tuvo un aumento muy importante sólo entre varones. Las tablas de referencia de IOFT sobreestiman el sobrepeso y subestiman la obesidad en relación a las de NCHS.

Palabras clave: obesidad, desnutrición, Catamarca

Keywords: obesity, under weight, Catamarca

RELACIÓN ENTRE LA IMAGEN CORPORAL Y LOS TRASTORNOS DEL COMPORTAMIENTO ALIMENTARIO EN UNA SERIE DE JÓVENES ESPAÑOLES Y ARGENTINOS

Marrodán, M Dolores¹; Bejarano, Ignacio²; Pacheco, José L³; Lomaglio, Delia B⁴; González - Montero de Espinosa, Marisa⁵; Alba, José A¹; Santos, G¹; Mesa, M Soledad¹

¹Depto. Zoología y Antrop. Física Univ. Complutense Madrid. España. ²Instituto de Biología de la Altura. Univ. Nacional de Jujuy Argentina. ³Depto. Enfermería. Univ. Complutense Madrid. España. ⁴Centro de Estudios de Antrop. Biológica. Univ. Nacional de Catamarca. Argentina. ⁵Inst.Enseñanza Secundaria Santa Eugenia. Madrid. España.

Se analizó la conformidad con la imagen corporal y prevalencia de trastornos del comportamiento alimentario (TCA) en una muestra de 517 jóvenes españoles y 490 argentinos. Se calculó el índice de masa corporal (IMC) y se relacionó la imagen real con la estimada mediante un método gráfico de siluetas. Para conocer la conducta alimentaria se utilizó un el test psicométrico de respuesta múltiple. Respecto a la autopercepción no existen diferencias significativas en función del país de origen pero si hay diferencias de género. También se tuvieron en cuenta las preferencias por el sexo contrario, así como la imagen considerada más saludable. La insatisfacción con la propia imagen aparece como probable factor de predisposición al desarrollo de TCA, que presenta una frecuencia mas elevada en la serie femenina española.

Palabras clave: imagen corporal, Trastornos del comportamiento alimentario (TCA), adolescentes, Argentina, España.

Keywords: body image, eating disorders, adolescents, Argentina, España

INDICADORES DE OBESIDAD EN JÓVENES ADOLESCENTES: APLICACIÓN DE LAS CURVAS ROC

Mesa, M Soledad¹; Marrodán, M Dolores¹; Dipierri, José E²; Lomaglio, Delia B³; Alfaro, Emma ²; Moreno-Romero, Susana¹; Pacheco, José⁴

¹Depto. Zoología y Antropología Física Universidad Complutense Madrid. España. ²Instituto de Biología de la Altura. Universidad Nacional de Jujuy Argentina. ³Centro de Estudios de Antropología Biológica. Universidad Nacional de Catamarca. Argentina. ⁴Depto. Enfermería. Universidad Complutense Madrid. España.

Se aplica la metodología de las curvas ROC para establecer la sensibilidad y especificidad de distintos marcadores de adiposidad en diferentes grupos humanos con el objeto de conocer la validez diagnóstica de los mismos. La muestra se compone de 1775 jóvenes (839 varones y 936 mujeres) entre 12 y 17 años residentes en la Comunidad de Madrid (España) y las provincias de Catamarca y Jujuy (Argentina). Se calcularon distintos estimadores de composición corporal basados tanto en pliegues como en la relación de perímetros, además del IMC. Tomando como variable de referencia el porcentaje de grasa, se llevó a cabo un análisis matemático y gráfico denominado Receiving Operational Characteristics o curvas ROC. Los resultados de las comparaciones entre variables y series indican que el nivel de precisión de las distintas variables no es siempre similar, ni para todos los marcadores ni entre ambas poblaciones. De manera general, el IMC el índice de conicidad y el de cintura cadera resultan ser los mas predictivos en la estimación de la obesidad valorada como exceso de grasa corporal.

Palabras clave: Curvas ROC, obesidad Argentina, España

Keywords: ROC curves, obesity, Argentina, España

LIMITACIONES DEL IMC COMO INDICADOR EXCLUSIVO DE ESTADO NUTRICIONAL

*Moreno-Romero, Susana¹; Dipierri, José E²; Bejarano, Ignacio F²;
Marrodán, M^a Dolores¹*

¹U. de Antropología. Facultad de Biología. Universidad Complutense de Madrid². INBIAL. Universidad Nacional de Jujuy. s_moreno_romero@yahoo.es

El presente trabajo tiene como objetivo determinar el potencial diagnóstico y las limitaciones del uso del Índice de Masa Corporal como único indicador del estado nutricional. Para ello se analizó una muestra constituida por 2155 sujetos de ambos sexos, con edades comprendidas entre los 6 y 18 años y pertenecientes a tres poblaciones jujeñas que difieren en ubicación altitudinal y nivel socioeconómico (NSE): 1.) Susques, localidad rural situada a 3675 m.s.n.m; 2.) Alto Comedero, barrio periférico de San Salvador de Jujuy (1250 m.s.n.m.) de NSE bajo; y 3.) José Hernández, muestra representativa del estrato SE elevado de la misma capital. Se tomaron las medidas directas de talla, peso, perímetro braquial y pliegues de grasa subcutánea tricipital y subescapular, entre otras. A partir de éstas, se calculó el IMC y las áreas tisulares del brazo. Se establecieron las categorías nutricionales en función de los percentilos establecidos por el NHANES I y II para la talla, IMC, área magra y grasa del brazo y pliegues tricipital y subescapular. Al comparar los resultados obtenidos para cada variable se comprueba como el uso exclusivo del IMC enmascara importantes patologías nutricionales, tanto por defecto como por exceso.

Palabras clave: IMC, estado nutricional, Jujuy, población infanto-juvenil / BMI, nutritional status, Jujuy, child and youth population

VARIABILIDAD DEL ÍNDICE DE CONICIDAD EN LA ADOLESCENCIA: ANÁLISIS COMPARATIVO DE POBLACIONES DE ARGENTINA, VENEZUELA Y ESPAÑA

*Pacheco, José L¹; Lomaglio, Delia B²; Mesa, M Soledad³; Alfaro, Emma⁴;
Pérez, Betty⁵; Bejarano, Ignacio⁴; Marrodán, M Dolores³*

¹Depto. Enfermería. Universidad Complutense Madrid. España. ²Centro de Estudios de Antropología Biológica. Universidad Nacional de Catamarca. Argentina. ³Depto. Zoología y Antropología Física Universidad Complutense Madrid. España. ⁴Instituto de Biología de la Altura. Universidad Nacional Jujuy. Argentina. ⁵Instituto Investigaciones Económicas y Sociales Universidad Central de Venezuela

El objetivo del presente trabajo –que se enmarca en un proyecto común denominado “Condición nutricional y biodiversidad en las poblaciones humanas”– es determinar el modelo de distribución de grasa corporal existente durante las edades de la adolescencia, y si existen diferencias entre poblaciones española e iberoamericanas. La muestra está formada por 1452 jóvenes entre 12 y 17 años, argentinos (Catamarca y Jujuy), españoles (Comunidad de Madrid), y venezolanos (Caracas y Mérida). Se analizó la distribución de grasa corporal haciendo especial énfasis en el Índice de Conicidad (IC). Al analizar este índice respecto a edad se observa que cambia en mayor grado que otros indicadores de adiposidad. Cada serie presenta, además, su propio patrón de variación. Los resultados obtenidos se interpretan en función de parámetros geográficos y socioeconómicos en los que se desenvuelven las poblaciones analizadas.

Palabras clave: Índice de Conicidad, distribución de grasa, Argentina, España, Venezuela

Keywords: Conicity Index, fat distribution, Argentina, España, Venezuela

ANÁLISIS ONTOGÉNICO DE RASGOS CRANEOFACIALES ROBUSTOS EN POBLACIONES HUMANAS DE PATAGONIA

González, Paula N

División Antropología. FCNyM. UNLP. gonzalez@fenym.unlp.edu.ar

Las poblaciones humanas que habitaron el sur de Patagonia durante el Holoceno tardío presentan rasgos craneofaciales robustos que las diferencian del resto de los humanos modernos. El estudio de los factores causales de la robustez se ha basado en el análisis de individuos adultos, por lo tanto los mecanismos ontogénicos involucrados en la diferenciación de estas poblaciones son aún desconocidos. El objetivo de este trabajo es analizar la ontogenia de la robustez craneofacial en diversas poblaciones humanas. Se analizaron 5 muestras de individuos subadultos (Sad, de 5 a 15 años) y adultos (Ad), procedentes del Noroeste Argentino y Patagonia (n=201). Se emplearon *landmarks* y *semilandmarks* con el fin de describir la glabella, los procesos frontal y zigomático, y el mastoides. Para establecer si los rasgos poblacionales específicos se encuentran presentes en Sad se compararon los patrones de ordenación de Ad y Sad obtenidos mediante un análisis de PROTEST. Los resultados indican que el patrón de variación morfológica se establece tempranamente en Sad. Se evaluó si la diferenciación en los Ad de las diversas poblaciones es atribuible al escalamiento ontogénico o a diferencias en las trayectorias. Los resultados muestran que si bien las poblaciones del sur alcanzan un mayor tamaño, las trayectorias ontogénicas entre las poblaciones estudiadas difieren significativamente. Por lo tanto, la robustez se establece tempranamente en la ontogenia postnatal y es modificada por la divergencia en los patrones de cambio en forma asociados a los cambios en tamaño.

Palabras clave: crecimiento, desarrollo, robustez. / Growth, development, craniofacial robusticity.

LA DEFORMACIÓN ARTIFICIAL COMO UNA VÍA PARA EL ESTUDIO DE LA INTEGRACIÓN MORFOLÓGICA

*González-José, Rolando¹; Perez, S. Iván²; Martínez Abadías, Neus³;
Hernández, Miquel³; Paschetta, Carolina¹; de Azevedo, Soledad⁴;
Pucciarelli, Héctor²*

¹Centro Nacional Patagónico. CONICET. rolando@cenpat.edu.ar

²Departamento de Parasitología, IB, UNICAMP, Brazil.

³Universitat de Barcelona. Barcelona, España.

⁴Universidad Nacional de la Patagonia.

Desde la óptica de la biología del desarrollo la deformación puede ser vista como un “experimento natural”. Así, una muestra formada por individuos deformados y no deformados permite estudiar hasta qué punto los patrones naturales de integración morfológica y modularidad del cráneo se ven afectados por la aplicación de un conjunto de fuerzas biomecánicas concretas durante los estadios tempranos de crecimiento del individuo. En este estudio se analizan series de cráneos deformados y no deformados de diversas poblaciones americanas mediante técnicas de morfometría geométrica en tres dimensiones. Los resultados preliminares muestran que cuando analizamos los patrones de covariación entre deformaciones existe una integración más marcada entre bóveda y base que entre los otros módulos. Este trabajo ha sido financiado a través del Proyecto del Ministerio de Educación y Ciencia Español MEC-FEDER (CGL2004-00903/BTE).

Palabras clave: integración morfológica, deformación artificial.

DIVERSIFICACIÓN CRANEOFACIAL E INTEGRACIÓN EVOLUTIVA EN POBLACIONES SUDAMERICANAS

Perez, S Iván¹; Monteiro, Leandro R²

¹Dep. Parasitología, IB, UNICAMP, iperez@fcnym.unlp.edu.ar. ²Lab. Ciências Ambientais-CBB, UENF, Brazil.

El estudio de la integración morfológica tiene gran importancia para comprender los patrones y procesos de evolución morfológica. Las poblaciones del sur de Sudamerica representan un interesante caso para el estudio de la integración evolutiva debido a que las mismas han alcanzado una gran diversidad morfológica. El objetivo de esta ponencia es presentar los resultados del análisis de la variación craneofacial y la integración evolutiva en poblaciones humanas de esta región. Se definieron componentes morfogenéticos los cuales fueron descriptos mediante *landmarks* y *semilandmarks*. Los patrones de integración entre componentes fueron comparados con modelos basados en información del desarrollo, función y origen embriológico de los componentes, con el fin de estimar la importancia de estos factores en la integración craneofacial. Nuestros resultados muestran que en el nivel intra-poblacional los componentes del esqueleto facial y la calota presentan mayor integración y se encuentran relativamente disociados de los de la base, como es esperado por el tipo de osificación del cráneo. En cambio, la integración en el nivel inter-poblacional difiere de la del nivel intra-poblacional y se ajusta al patrón de crecimiento del cráneo. En conjunto estos resultados muestran que la integración entre componentes es flexible y que diferentes factores pueden modificar el patrón de integración.

Keywords: craneofacial integration, geometric morphometrics

RESPUESTA MODULAR DE LOS COMPONENTES CRANEANOS POR ACCIÓN HORMONAL EN EL RETARDO PRENATAL DE CRECIMIENTO

Quintero, FA^{1,2}; Castro, L²; Orden, AB^{1,3}; Cesani, MF^{1,3}; Fucini, MC^{1,4}; Guimarey, LM^{1,5}; Oyhenart, EE^{1,2,3}

¹CIGEBA FCV. UNLP. ²Facultad de Ciencias Naturales y Museo ³CONICET. ⁴Facultad de Odontología. UNLP. ⁵CICPBA.

La plasticidad fenotípica es producto de la interacción dinámica entre la información genética y el ambiente, constituyendo el sistema endocrino un intermediario entre ambos. La desnutrición, en el período prenatal y postnatal temprano, puede retrasar el crecimiento. El Catch-up resulta de un período de aceleración del crecimiento que permite a los organismos recuperar su tamaño corporal. Sin embargo, las respuestas son heterogéneas y dependen de condiciones externas y factores intrínsecos vinculados al eje somatotrópico. El presente trabajo analiza el efecto de la hormona de crecimiento (GH) sobre las trayectorias de crecimiento de los componentes craneanos neural y facial de animales con retardo prenatal de crecimiento (RPC). Ratas Wistar constituyeron los grupos: Control, RPC y RPC+GH. El RPC se indujo por obstrucción de arterias uterinas. La GH se administró entre 21-60 días de edad. A los 1, 21, 42, 63 y 84 días se midieron sobre Rx longitud, ancho y altura del neuro y esplanocráneo. Se realizó análisis de componentes principales y se calcularon los volúmenes neural y facial ajustados por curvas de regresión. Se concluye que los componentes craneanos facial y neural presentan diferentes estrategias de recuperación en respuesta a la GH, mostrando comportamiento modular.

Palabras clave: RPC, Crecimiento compensatorio, GH

Keywords: IUGR, Catch up growth, GH

COMPONENTES PRENATAL Y POSTNATAL DE LA DIFERENCIACIÓN CRANEOFACIAL ENTRE DOS POBLACIONES HUMANAS

Sardi, Marina L¹; Ramírez Rozzi, Fernando²; Pucciarelli, Héctor M¹

¹División Antropología, Museo de La Plata, UNLP, Argentina. ²UPR 2147, CNRS, Francia.
msardi@fcnym.unlp.edu.ar

Parte importante de la diferenciación craneofacial interpoblacional ya está presente en etapas tempranas de la ontogenia postnatal. Sin embargo, se desconoce qué parte de la diferenciación se produce en la etapa prenatal. El objetivo de este estudio es evaluar la diferenciación craneofacial entre dos poblaciones humanas en dos etapas ontogénicas: menores de 1 año de edad y adultos, a fin de determinar que parte de la diferenciación se produce en la etapa prenatal y en la postnatal. Se estudiaron cráneos adultos y menores a 1 año de edad, de origen europeo (EUR) y de poblaciones nativas sudafricanas (SAF). Se registraron 32 landmarks. Las coordenadas tridimensionales se analizaron mediante Análisis Generalizado de Procrustes (AGP) y con las coordenadas obtenidas, se realizó Análisis de Componentes Principales (ACP). El análisis discriminante hecho con los scores AGP/ACP indicó que hay diferenciación entre EUR y SAF en adultos (Wilks=0.12**) y en sub-adultos (Wilks= 0.07**). Según las grillas de deformación, los adultos SAF presentan cráneos mas largos en sentido anteroposterior y prognatismo facial y landmarks laterales del neurocráneo ubicados mas superiormente respecto de EUR; en los sub-adultos se observa diferenciación similar en el neurocráneo, pero poca diferenciación en la cara. Esto indica que la diferenciación en la forma neurocraneana se produce en la ontogenia prenatal y se acentúa posteriormente. La diferenciación facial, en cambio, se produce principalmente durante la ontogenia postnatal.

Palabras clave: diferenciación craneal.

Keywords: cranial differentiation.

CONSENTIMIENTO INFORMADO Y CONSIDERACIONES ÉTICAS EN ESTUDIOS DE CRECIMIENTO Y DESARROLLO

Alfaro, EL

Instituto de Biología de la Altura. UNJu. ealfaro@inbial.unju.edu.ar

El consentimiento informado (CI) escrito y firmado del participante de una investigación se ha convertido en un asunto cada vez más complejo con significativa relevancia legal. Los sujetos participantes en estudios de crecimiento y desarrollo son niños y adolescentes por lo que su aceptación voluntaria a participar siempre queda comprometida ya que quien da el consentimiento no es el propio evaluado. Si bien las pautas internacionales y otros instrumentos normativos orientan el accionar de los investigadores, es necesario analizar y discutir, entre otros, los siguientes aspectos: a) incorporación de la solicitud de asentimiento del menor a participar de la investigación; b) solicitud de CI y circunstancias en las que se puede actuar sin él (procedimientos no invasivos y que no implican riesgos para la salud); c) susceptibilidad en la población de firmar cualquier documento, obtención y documentación del CI por parte de los padres; d) soledad del investigador en el momento de tomar algunas decisiones relacionadas con la prevención de la conflictividad y con la necesidad de evitar actitudes puramente defensivas. Esta iniciativa de análisis y debate ofrece la posibilidad de reflexionar y decidir entre acordar normas que contengan principios generales o regular minuciosa y detalladamente el proceso de CI en estudios de crecimiento y desarrollo.

Palabras clave: consentimiento informado – asentimiento- crecimiento y desarrollo

PAUTAS ÉTICAS PARA LA INVESTIGACIÓN GENÉTICA EN ANTROPOLOGÍA BIOLÓGICA

Caratini, Alicia L

Sección Antropología Biológica, I.C.A., Facultad de Filosofía y Letras, UBA.
antbiol@filo.uba.ar

El abordaje de la ética de la investigación en el área de la genética de poblaciones es de orden colectivo en un contexto de multiculturalidad, haciéndose imprescindible el respeto a las pautas culturales y a las formas de organización social de los grupos involucrados: poblaciones originarias y/o cosmopolitas. Lo importante es que los acuerdos alcanzados cobijen sin discriminación a cada uno de los actores que desarrollan el proceso de investigación tanto a los investigadores como a las poblaciones-sujetos. Todas las pautas éticas se hallan enmarcadas por los principios que fijan los convenios Internacionales como el Código de Nuremberg (1947), Declaración de Helsinki (1964 y las sucesivas revisiones), las normas internacionales de CIOMS (1991-1993) la Declaración internacional sobre los datos genéticos Humanos, UNESCO (2003), y las legislaciones regionales y locales. Los procedimientos deben cumplir sintéticamente los siguientes pasos: 1) Recolección de los datos genéticos, se debe tener el consentimiento, previo, libre e informado de las poblaciones-sujetos; 2) confidencialidad de los datos identitarios; 3) el derecho a ser informado, las poblaciones involucradas deben tener acceso a los resultados de la investigación; 4) se debe observar en la cooperación e intercambio internacional el respeto mutuo de acuerdo al art.18 de la Declaración sobre los datos genéticos Humanos (UNESCO 2003). El cumplimiento de las pautas éticas debe estar supervisado por Comités de Etica interdisciplinarios en los organismos de financiamiento de los proyectos.

Palabras clave: genética - ética - investigación / genetics - ethic - research

ÉTICA Y ESTUDIO DE RESTOS ÓSEOS HUMANOS

Dahinten, S¹; González-José, R¹; Barrientos, G²

¹Centro Nacional Patagónico. CONICET. Puerto Madryn, Chubut.

²Facultad de Ciencias Naturales y Museo, UNLP. CONICET. La Plata, Buenos Aires.

dahinten@cenpat.edu.ar

La Antropología Biológica atraviesa una fase de cuestionamiento respecto al estudio de restos óseos provenientes de poblaciones originarias motivado por debates surgidos en diferentes ámbitos. Esta situación obliga a una definición por parte de la Asociación de Antropología Biológica Argentina (AABA), destinada a establecer y comunicar los objetivos de la disciplina, su aporte a la comprensión de la historia tanto de los pueblos originarios como de otras poblaciones que habitan y habitaron el territorio nacional y su posición en torno a la conservación del patrimonio biológico y cultural. Este objetivo se considera primordial para sentar las bases que permitan el diálogo con los diferentes actores interesados, partiendo del hecho que la comunidad bioantropológica argentina asume un compromiso cabal con la identidad y bienestar de los pueblos originarios. Por mandato de la Asamblea de las VII JAAB, se encomendó a los autores la redacción de un documento base que representara la posición de la AABA frente a esta situación. A tal fin, se realizó una encuesta entre los asociados dedicados al estudio de restos óseos humanos y responsables de colecciones, con el fin de recabar opinión sobre diferentes aspectos del trabajo bioantropológico en este campo. La presente ponencia resume los resultados de la encuesta y propone lineamientos que serán puestos a consideración de los miembros, para la redacción de un documento que represente el espíritu de la AABA en relación con este problema.

Palabras clave: restos óseos - pueblos originarios - patrimonio biocultural

DIVERSIDAD GENÉTICA DE MUESTRAS PRECOLOMBINAS DE LA REPÚBLICA ARGENTINA

Dejean, CB; Carnese, FR

Sección Antropología Biológica, ICA. Fac. Filosofía y Letras, UBA. Puan 480 of. 407 (1406), CABA. antbiol@filo.uba.ar

El objetivo de este trabajo es comparar la variabilidad genética de grupos pre-hispánicos del noroeste argentino (Pampa Grande, 1310 ± 40 AP; Cortaderas Derecha 600 AP) respecto de las poblaciones amerindias actuales de Sudamérica. A partir del ADN antiguo de las muestras prehistóricas se determinaron marcadores uniparentales (ADNmt y cromosoma Y). Se detectaron los 4 haplogrupos clásicos descriptos para Sudamérica A, B, C y D. A su vez, si bien no se observaron haplotipos del cromosoma Y idénticos a los de la base de datos consultadas, las coincidencias, con una diferencia de uno o dos alelos, se presentaron con individuos de origen amerindio y/o asiático. La diversidad génica y haplotípica de los linajes maternos y paternos, así como también las estimadas a partir de los marcadores autosomales fueron similares a las observadas en indígenas actuales. Estos datos sugieren que un grupo único de individuos podría haber originado la diversidad actual de los nativos americanos, y que esa variabilidad no se vio afectada por un efecto cuello de botella como consecuencia de la conquista europea.

Palabras clave: ADN antiguo, diversidad, grupos prehistórico.

Keywords: Ancient DNA, diversity, prehistoric groups.

Apoyo financiero: UBACyT - CONICET.

PRIMEROS RESULTADOS DEL ANÁLISIS DE ADN MITOCONDRIAL DEL SITIO ARROYO SECO 2, PROVINCIA DE BUENOS AIRES, ARGENTINA

Figueiro, Gonzalo^{1,2}; *Sans, Mónica*¹

¹Departamento de Antropología Biológica, FHCE, Universidad de la República, Montevideo, Uruguay. ²Sección Genética Evolutiva, FC, Universidad de la República, Montevideo, Uruguay. vazfigue@gmail.com

El análisis de ADN de restos antiguos permite agregar una dimensión diacrónica a estudios de historias poblacionales. Con el fin de estudiar la composición genética de una muestra temprana de la región pampeana, se extrajo y analizó por RFLP, ADN mitocondrial de una muestra de 23 individuos del sitio Arroyo Seco 2, Provincia de Buenos Aires, con fechados máximos de 7800 años A.P. Fue posible asignar 8 individuos a los haplogrupos B (n = 3), C (n = 4) y D (n = 1), en tanto que en 8 no pudo extraerse ADN, en 3 fue imposible la determinación y en 4 se constató contaminación con ADN moderno. Se exploraron las relaciones de muestras indígenas antiguas y modernas con la muestra de Arroyo Seco 2 que, como supuesto exploratorio inicial, fue considerada representativa de las poblaciones tempranas de la región pampeana. Entre los resultados obtenidos del análisis comparativo se destacan de momento: a) Una relación sugerente entre la muestra de Arroyo Seco 2 y poblaciones modernas del Chaco, Patagonia y sur de Chile y b) una notable diferencia respecto a los Mapuche de la Argentina, lo cual sugiere una discontinuidad entre las poblaciones pampeanas del Holoceno temprano y el Holoceno tardío.

Palabras clave: ADN mitocondrial, poblaciones prehistóricas

Keywords: mitochondrial DNA, prehistoric populations

Financiado por Comisión Sectorial de Investigación Científica, Universidad de la República

ANÁLISIS DE ADN MITOCONDRIAL PARA COMPRENDER EL POBLAMIENTO PREHISTÓRICO DEL URUGUAY

Sans, Mónica¹; Figueiro, Gonzalo^{1,2}; Hidalgo, Pedro C³

¹Departamento de Antropología Biológica, FHCE, Universidad de la República, ²Sección Genética Evolutiva, FC, Universidad de la República, ³Instituto Nacional de Donación y Transplante (INDT), Hospital de Clínicas, Uruguay. E-mail: msans@fhuce.edu.uy

Numerosos estudios refieren a la cantidad de “oleadas” poblacionales que pudieron haberse asentado en América del Sur; las muchas oleadas propuestas en las décadas entre 1920 y 1960 se redujeron posteriormente a una o dos. Recientes estudios muestran que, al considerar haplogrupos mitocondriales, no todas las regiones presentan los cuatro que habrían llegado a la región, proponiéndose para el extremo sur la presencia de solo dos de éstos. En este estudio se propone analizar haplogrupos mitocondriales en pobladores prehistóricos del Uruguay, en una muestra de 27 esqueletos de dos áreas, y la relación de su frecuencia con regiones propuestas como propias de distintas oleadas utilizándose otras variables. Si bien el número de individuos en los que pudo ser analizado el ADNmt es escaso, los haplogrupos B y C son una clara mayoría, mientras que el haplogrupo A parece relacionarse a poblaciones que habrían llegado cercanas al momento de conquista europea. Se discute si estas diferencias se explican por deriva génica o por eventos migratorios distintos.

Palabras clave: oleadas poblacionales, procesos microevolutivos.

Keywords: population waves, microevolutionary processes.

Financiado por Comisión Sectorial de Investigación Científica, Universidad de la República

El eje de discusión será la Gestión y Estudio de Muestras de Restos Humanos. Este encuentro tiene como objetivo discutir aspectos vinculados con la obtención, conservación, estudio, exhibición y restitución de los mismos. Actualmente, la Antropología Biológica atraviesa una fase de cuestionamiento en relación con la investigación de restos humanos, en particular de aquellos asignados a poblaciones americanas nativas. En este sentido, este espacio de discusión pretende contribuir al desarrollo de lineamientos y criterios para el tratamiento de restos humanos desde la perspectiva de nuestra disciplina.

EDAD DENTAL VS EDAD ÓSEA.
¿CUÁL SE APROXIMA MEJOR A LA EDAD AL MORIR?

Baffi, Elvira Inés

Museo Etnográfico, CONICET, UBA. einesbaffi@yahoo.es

En el presente trabajo se analizan, en restos de subadultos, los valores obtenidos para la edad al morir, evaluados a través de indicadores de edad dental y edad ósea, recuperada mediante la longitud de los huesos largos. La muestra considerada corresponde a subadultos recuperados por E. Boman en los cementerios prehispánicos de San Blas de los Sauces, provincia de La Rioja, Argentina. Se evalúan diferencias y coincidencias en las edades obtenidas por ambos métodos en esta muestra, y en otras procedentes del Noroeste Argentino y norte de Chile. Se proponen posibles explicaciones por las divergencias encontradas.

Palabras clave: Biorqueología, subadultos, edad dental, edad ósea.

Keywords: Bioarchaeology, Subadults, Dental age, Oseous age.

PARÁSITOS Y SALUD. EL CASO DE LAS PIRGUAS, SALTA

Baffi, Elvira Inés ; Baldini, Marta I***

*CONICET, Museo Etnográfico, UBA. einesbaffi@yahoo.es

**CONICET, Museo Etnográfico-UBA y UNLP.

La serranía de Las Pirguas, Salta, Argentina, alberga a numerosas cavernas, algunas exclusivamente funerarias y otras con ocupaciones esporádicas. Varias de ellas fueron excavadas y estudiadas entre 1969 y 1971 por Alberto Rex González. En estas excavaciones se recuperaron los restos de una población del año 600 de la Era, asociados a objetos atribuidos a Candelaria y restos alimenticios, que dan cuenta de dieta variada. El análisis bioarqueológico determinó que la población estuvo sometida a un severo estrés, que afectó su salud. Ya hemos señalado diversas circunstancias sociales, como la agresión de grupos cercanos, vinculadas con esta situación de estrés. En este trabajo se incorpora información relacionada con la salud del grupo. A partir de determinaciones en coprolitos humanos, se demostró la presencia de varios parásitos. Aquí discutiremos cómo estas distintas especies pudieron afectar la salud de la población.

Palabras clave: Dieta, Salud, Enfermedad, Parásitos

Keywords: Diet, Health, Disease, Parasite

OUTLIERS EN DISTRIBUCIONES DE VALORES DE $\delta^{13}\text{C}$: UNA INTERPRETACIÓN BASADA EN EL USO DE SIMULACIONES

Barrientos, G¹; Tessone, A²

¹CONICET- Facultad de Ciencias Naturales y Museo, UNLP; ²CONICET, INGEIS.
barrient@museo.fcnym.unlp.edu.ar

Con frecuencia, las distribuciones empíricas de valores de $\delta^{13}\text{C}$ de muestras arqueológicas poseen *outliers*. Tales casos “anómalos” son explicados, generalmente, por medio de argumentos *ad hoc* referidos al espécimen mismo (v.g. contaminación de la muestra, alteración diagenética, diferente composición de la dieta). Sin embargo, es un hecho conocido que, en muestras de pequeño tamaño, la ocurrencia de valores extremos es más probable que en muestras de gran tamaño. Debido a ello, una interpretación alternativa que rara vez es explorada en arqueología, es que los *outliers* registrados en distribuciones de valores isotópicos pueden ser el efecto de muestreo, asociados al análisis de muestras pequeño tamaño. En efecto, la mayoría de los estudios de isótopos estables orientados a inferir la composición de la dieta de poblaciones prehistóricas se basan en el estudio de muestras pequeñas (n promedio ≈ 25). Tales muestras son extraídas al azar, al menos respecto de su composición isotópica, a partir de poblaciones cuyo tamaño es del orden de centenas o de miles de individuos. El objetivo de esta ponencia es demostrar que el muestreo aleatorio de pequeñas series de observaciones ($n=25$), extraídas de poblaciones simuladas de gran tamaño ($N \geq 1000$), pueden producir *outliers* con alguna probabilidad mensurable y que existen composiciones de dietas que pueden producir mayor cantidad de valores extremos que otras.

Palabras clave: $\delta^{13}\text{C}$ - *Outliers* - Simulación Computarizada

ESTUDIO BIOARQUEOLÓGICO DEL ESQUELETO RECUPERADO EN LA CORBETA BRITÁNICA DEL SIGLO XVIII HMS-SWIFT (PUERTO DESEADO, SANTA CRUZ)

*Barrientos, G¹; Béguelin, M¹; Bernal, V¹; Del Papa, M¹; García Guraieb, S²;
Ghidini, G¹; González, P¹; Elkin, D²*

¹Facultad de Ciencias Naturales y Museo, UNLP. ²Instituto Nacional de Antropología y Pensamiento Latinoamericano. barrient@museo.fcnym.unlp.edu.ar

Durante las recientes excavaciones efectuadas en los restos de la corbeta británica HMS Swift, naufragada en 1770 en Puerto Deseado (Provincia de Santa Cruz), se encontró un esqueleto humano completo. La documentación histórica oficial señala que durante el naufragio desaparecieron dos infantes de marina, de 21 y 23 años de edad, cuyos nombres y lugar de procedencia son conocidos. Para determinar si el esqueleto corresponde a uno de estos dos individuos, se están desarrollando investigaciones centradas en obtener información relevante mediante el estudio del sexo, edad, estatura, patologías, patrones de actividad, dieta (isótopos estables del C y N) y características genéticas (rasgos no métricos, ADNmt). Los resultados de las estimaciones de sexo, edad y estatura indican que se trataría de un individuo masculino, adulto joven, de alrededor de 25 años al momento de morir (rango de edad calculada entre 17 y 34 años) y de alrededor de 1,67 m de estatura. La evidencia obtenida hasta el presente indica que, con una alta probabilidad, el esqueleto corresponde a uno de los dos tripulantes desaparecidos, aunque aún no puede asignarse a uno de ellos en particular, por lo que se espera que la información genética pueda aportar a su potencial identificación.

Palabras clave: Arqueología Subacuática, Naufragio, HMS Swift

ASIMETRÍA EN EL POSTCRÁNEO DE POBLACIONES HUMANAS PREHISPÁNICAS DE PAMPA Y PATAGONIA

Béguelin, Marien

CONICET, Facultad de Ciencias Naturales y Museo. U.N.L.P. mbeguelink@gmx.net

En este trabajo se evaluó el patrón de asimetría bilateral de muestras esqueléticas de poblaciones cazadoras-recolectoras de Pampa y Patagonia (n=161) en el marco de una investigación centrada en la variación geográfica de la morfología postcraneal. Se analizaron tanto la presencia como el grado de asimetría observado en los huesos largos de los miembros superiores e inferiores (húmero, radio, fémur, tibia). Se examinó también el dimorfismo sexual y la variación interpoblacional. Los análisis se basaron en los porcentajes direccional y absoluto de asimetría. El primero de ellos considera tanto la magnitud de la asimetría como la lateralidad en tanto el segundo se concentra en la magnitud. Se encontró un patrón general de asimetría en todas las muestras, siendo más marcado en los miembros superiores que en los inferiores, y hacia el lado derecho. Los miembros inferiores evidencian una asimetría muy leve, y el fémur mostró una tendencia hacia la izquierda en todas sus dimensiones (fenómeno conocido como asimetría cruzada). Las asimetrías de longitud son mucho menos pronunciadas que las de diámetros de diáfisis. En todas las muestras los grupos masculinos presentan un grado mayor de asimetría que los femeninos. Se discutirán alternativas en torno a la influencia de distintos factores, a saber sexo, tipo de medida (longitud o diámetro) y diferencias interpoblacionales sobre el tipo y grado de asimetría.

Palabras clave: Asimetría postcraneal, cazadores-recolectores, Pampa, Patagonia.

Keywords: Postcranial asymmetry, prehispanic hunter-gatherer.

BIOANTROPOLOGÍA DE UNA POBLACIÓN DE SAN PEDRO DE ATACAMA A TRAVÉS DE TRES FASES CULTURALES

Costa, María Antonieta¹; Hubbe, Mark¹; Llagostera, Agustín¹

¹Instituto de Investigaciones Arqueológicas y Museo. Universidad Católica del Norte, San Pedro de Atacama. ma.costa@vtr.net

Este estudio se ha hecho a través de la población arqueológica de Quitor 5, un cementerio ubicado en el distrito (ayllu) homónimo, a orillas del río San Pedro, el que aportó 164 tumbas con 371 cuerpos. Los cuerpos, todos en cucullas, se hallaron a varias profundidades y su orientación es igualmente variable. Hay tumbas de uno hasta siete cuerpos y entre los entierros secundarios desde ocho hasta treinta cuerpos. Entre el ajuar acompañante se encuentra: numerosas alfarerías de las épocas y cestería, hachas, tabletas para alucinógenos junto a la correspondiente parafernalia, adornos de cobre y al menos una placa de oro, huesos pirograbados, etc. A través de los contextos funerarios ha sido posible segregar en este sitio tres fases del período agroalfarero atacameño -Temprano, Medio y Tardío- lo que ha permitido hacer un seguimiento bioantropológico de una misma población local, a través del tiempo, detectando sus cambios, persistencias e intrusiones. Para esto se analizó sexo, edad, patologías, traumas y deformación craneana, como indicadores para inferir aspectos de composición de población, morbilidad, estado nutricional, violencia, aspectos laborales y rasgos culturales en general.

EL ORIGEN DE LOS MONGOLOIDES: GENÉTICA CUANTITATIVA APLICADA AL POBLAMIENTO DEL NUEVO MUNDO

de Azevedo, Soledad¹; Paschetta, Carolina²; Martínez Abadías, Neus³; Hernández, Miquel³; Pucciarelli, Héctor⁴; González-José, Rolando³

¹Universidad Nacional de la Patagonia. Puerto Madryn, Chubut. soldeazevedo@gmail.com

²Centro Nacional Patagónico. CONICET.

³Universitat de Barcelona. Barcelona, España.

⁴Museo de La Plata, Universidad Nacional de La Plata. CONICET.

La morfología craneofacial mongoloide es definida clásicamente por la presencia de caras aplastadas, neurocráneos globulares y braquicéfalos, narices y órbitas altas y cigomáticos altos. Se ha sugerido que la aparición de este conjunto de rasgos sería una respuesta adaptativa al clima frío, o bien que factores estocásticos como la deriva o la migración, podrían ser también responsables de la evolución de estos rasgos. Se aplicó el modelo de Lande para evaluar si la variabilidad intra e interpoblacional se ajusta a un modelo de evolución por deriva o por selección. Se trabajó sobre una base de datos de coordenadas de landmarks en 2D obtenidas a partir de fotografías digitales de cráneos asiáticos y americanos. Los resultados evidencian una acción diferencial de deriva o selección, dependiendo del módulo del cráneo estudiado, sugiriendo que el fenotipo mongoloide es producto de una historia microevolutiva compleja.

Palabras clave: mongoloide, genética cuantitativa.

Este trabajo ha sido financiado a través del Proyecto del Ministerio de Educación y Ciencia Español MEC-FEDER (CGL2004-00903/BTE).

PRESENTACIÓN DE LA COLECCIÓN OSTEOLÓGICA
“Profesor Doctor Rómulo Lambre”
(UNIVERSIDAD NACIONAL DE LA PLATA, ARGENTINA)

*Desántolo, B^{3,6}; García Mancuso, R^{1,4}; Plischuk, M^{1,4}; Salceda, S¹;
Errecalde, A²; Prat, G³; Inda, A^{2,5}*

¹Cátedra de Métodos y Técnicas en la Investigación en Antropología Biológica, FCNyM, UNLP. ²Cátedra de Citología, Histología y Embriología “A”, FCM, UNLP. ³Laboratorio de Investigaciones Morfológicas Aplicadas, FCM, UNLP ⁴CONICET. ⁵CIC. ⁶UNLP.

En el presente trabajo se describe la composición de la Colección Osteológica “Prof. Dr. Rómulo Lambre”, como así también los avances en el proceso de acondicionamiento de la misma. La muestra se encuentra depositada en la Facultad de Ciencias Médicas de la Universidad Nacional de La Plata y está formada por restos esqueléticos no reclamados, cedidos por el Cementerio Municipal La Plata. La colección cuenta al día de hoy con 313 esqueletos: 177 individuos con edades comprendidas entre neonatos a 2 años, 41% femeninos y 59% masculinos; y 136 individuos con edades comprendidas entre 22 y 101 años; 42% femeninos y 58% masculinos. Del relevamiento de los documentos del cementerio municipal conocemos que el promedio de edad de muerte en adultos es de 74 años para el sexo femenino, y 70 para el sexo masculino. El paro cardio-respiratorio no traumático constituye el 90% de las causas de muerte, mientras que la nacionalidad argentina representa al 83% de la muestra. Al momento el 50% de los esqueletos se encuentran acondicionados para su análisis. La posibilidad de relevar de los datos documentales hace de esta colección un valioso recurso para la investigación médica y antropológica.

Palabras clave: Osteología, colección documentada.

Keywords: Osteology, documented collection.

ESTRUCTURA GENÉTICA EN POBLACIONES PREHISPÁNICAS DEL CENTRO DE ARGENTINA

Fabra, Mariana; Demarchi, Darío A

Museo de Antropología, FFyH, UNC. mfabra@ffyh.unc.edu.ar

Se analizan, a partir de nuevos datos craneométricos, las relaciones interpopulacionales y los roles relativos cumplidos por las fuerzas evolutivas sistemáticas vs las aleatorias en la diferenciación biológica de las poblaciones que ocuparon el actual territorio de Córdoba y otras que habitaron otras regiones geográfico-ecológicas de Argentina. La muestra está compuesta por 14 poblaciones, incluyendo 274 adultos masculinos, analizados en 10 variables craneofaciales. Se utiliza el análisis de componentes principales (PCA) y el análisis de Relethford y Blangero (1990), basado en el modelo de Harpending y Ward (1982), para datos morfológicos. De acuerdo a este modelo, bajo presión sistemática uniforme, existe una correlación lineal y negativa entre la diversidad genética observada (en el caso de rasgos morfológicos se toma la variación fenotípica de forma análoga) y la distancia genética de cada población a un hipotético antecesor común. El PCA muestra a Córdoba en una posición intermedia, cercana a San Luis y a otras poblaciones de las regiones pampeana y centro de Patagonia. El análisis de Relethford-Blangero ubica a Córdoba muy cercana al origen y sobre la línea de regresión, lo cual sugiere un tamaño poblacional grande y/o una separación reciente de la población ancestral, o bien la existencia de alto flujo genético con las poblaciones de las regiones mencionadas en el PCA.

Palabras clave: variables craneométricas, Análisis de Relethford-Blangero, PCA, poblaciones prehispánicas, Córdoba

Keywords: Craneometric traits, Relethford-Blangero analysis, PCA, pre-Hispanic populations, Córdoba

ESTUDIO DE ADECUACIÓN FISIOLÓGICA Y SALUD BUCAL DE RESTOS ÓSEOS DE CAZADORES-RECOLECTORES DEL HOLOCENO TARDÍO DEL LAGO SALITROSO (NOROESTE DE SANTA CRUZ)

García Guraieb, Solana¹; Maldonado Marta B²

¹CONICET/INPAL, ²UBA/Cuerpo Médico Forense. solanagg@gmail.com

Se presentan los resultados de los estudios de salud y adecuación fisiológica de la cavidad oral, efectuados sobre una muestra de 30 individuos de distinto sexo y edad, correspondientes a grupos cazadores-recolectores del Holoceno tardío de la cuenca del lago Salitroso (Noroeste de Santa Cruz). Se emplearon técnicas macroscópicas y radiológicas para evaluar la prevalencia de caries, pérdida de dientes antemortem, abscesos y enfermedad periodontal. Asimismo, sólo de forma macroscópica, se relevó la prevalencia de cálculo dental y el grado de desgaste de la corona. Se observaron bajas prevalencias de caries, abscesos y pérdidas de piezas antemortem, altos grados de desgaste y moderadas frecuencias de cálculo dental. Se compararon estos resultados con aquellos obtenidos para otros grupos cazadores-recolectores. Los datos obtenidos en el lago Salitroso coinciden con lo observado para grupos con dietas altamente abrasivas y de bajo contenido de alimentos cariogénicos. Metodológicamente, la inclusión de técnicas radioscópicas permitió refinar el diagnóstico de abscesos, aunque mostró una baja sensibilidad para la detección de caries.

Palabras clave: salud bucal, cazadores-recolectores tardíos, Patagonia.

Keywords: Oral Health, Hunter-gatherers, Patagonia.

ESTUDIO DE LOS RESTOS ÓSEOS HUMANOS DE ESQUINA DE HUAJRA (DTO. TUMBAYA, QUEBRADA DE HUMAHUACA, JUJUY)

Gheggi, Maria Soledad

CONICET-Instituto de Arqueología, FyL, UBA. msgheggi@hotmail.com

Se presentan los resultados obtenidos a partir del estudio de los restos óseos humanos de cinco entierros del sitio arqueológico Esquina de Huajra (*ca.* 1200-1480 A.D.). Las tareas realizadas incluyeron la caracterización biológica de la población en términos del perfil biológico (sexo y edad), estado de salud e indicadores óseos de uso del cuerpo. Podemos afirmar que el estado de salud general y específicamente los indicadores de estrés nutricional no son concluyentes para indicar niveles importantes de diferenciación en el acceso a los recursos alimenticios entre los individuos inhumados. Esta conclusión es apoyada por los resultados de análisis de isótopos estables de carbono y nitrógeno. El estudio de los marcadores de actividad física nos permitió afirmar que algunos individuos presentaron elevada frecuencia de trabajo físico exigente y diferencias en el patrón de actividades entre los sexos. Estos resultados son interpretados a la luz del conocimiento actual sobre la dinámica de las poblaciones prehispánicas de la quebrada de Humahuaca en el período temporal en cuestión.

Palabras clave: bioarqueología, modo de vida, patologías

Keywords: bioarchaeology, life style, pathologies

LESIONES TRAUMÁTICAS Y MARCAS TAFONÓMICAS EN UNA MUESTRA DE CRÁNEOS DEL NORTE DE PATAGONIA

Gordón, Florencia

CONICET – FCNyM, UNLP. fgordon2007@gmail.com

Actualmente se está llevando a cabo una investigación orientada a evaluar la frecuencia y el tipo de lesiones traumáticas atribuibles a situaciones de violencia interpersonal en muestras de restos óseos humanos del norte de Patagonia asignables al Holoceno tardío. Para dicho estudio, resulta indispensable un análisis de tipos e intensidad de variables postdepositacionales con el fin de estimar su impacto sobre la visibilidad de las huellas culturales. Sería esperable que en las submuestras que exhiben un grado mayor de alteración postdepositacional el registro de traumas sea menor y viceversa. El tamaño mínimo de la muestra analizada es de 400 cráneos procedentes de las cuencas inferiores de los ríos Negro y Chubut, pertenecientes a las colecciones del Museo de Ciencias Naturales de La Plata. Los resultados obtenidos hasta el presente indican que la muestra de Río Negro es la que mayor frecuencia de traumas y alteraciones tafonómicas presenta, mientras que la de Chubut exhibe baja frecuencia tanto de marcas tafonómicas como de traumas. Las variables postdepositacionales no parecen estar afectando significativamente a las observaciones de traumas culturales, por lo que las diferencias regionales en la frecuencia de este tipo de lesiones parecen reflejar diferencias reales en la exposición a factores causantes de lesiones traumáticas, entre las que se cuenta la violencia interpersonal.

Palabras clave: trauma, tafonomía, violencia interpersonal

Keywords: trauma, taphonomy, interpersonal violence

VARIANZA AMBIENTAL Y ESTABILIDAD DEL DESARROLLO EN LA POBLACIÓN PREHISPÁNICA DE LAS PIRGUAS (SALTA, ARGENTINA)

Medeot, Erica A; Cocilovo, José; Varela, Héctor H

CONICET-Facultad de Ciencias Exactas, Físico-Químicas y Naturales. Universidad Nacional de Río Cuarto. emedeot@exa.unrc.edu.ar

Estudios anteriores basados en indicadores osteológicos comprobaron la existencia de un alto impacto ambiental afectando el crecimiento y desarrollo normal de los habitantes de Las Pirguas (Salta), un grupo del período agroalfarero del N.O. Argentino (aproximadamente 600 d.C.), por la acción de factores de naturaleza nutricional y sociocultural. Puesto que tales condiciones de vida tienen que haber comprometido además la estabilidad del desarrollo de los individuos, es apropiada su evaluación mediante el análisis de la repetibilidad (r) de mediciones bilaterales del cráneo y de su complemento ($1-r$) la varianza ambiental especial. Se midieron 21 variables bilaterales del cráneo en una muestra de 60 individuos. Los resultados indican la existencia de diferencias bilaterales significativas a favor del lado derecho en las dimensiones: NA-FMO, PT-FMT, BRE-AS y PO-BRE, mientras que las restantes variables presentan promedios semejantes. Los individuos adultos poseen una repetibilidad media ($0,744 \pm 0,025$), menor en un 19,3 por ciento a la de los infantiles ($0,922 \pm 0,013$), y comparativamente más baja con respecto a otras poblaciones del Área Andina Centro Meridional. Estos resultados confirman el perfil de vida marginal y de extremas exigencias ambientales bajo las cuales vivió esta población.

Palabras clave: repetibilidad, caracteres cuantitativos, poblaciones prehistóricas.

Keywords: repeatability, quantitative characters, prehistoric populations.

INFLUENCIA DE LOS CAMBIOS DIETARIOS EN LA MORFOLOGÍA FACIAL: EL CASO DEL VALLE DEL RÍO OHIO (USA)

*Paschetta, Carolina¹; de Azevedo, Soledad²; Martínez Abadías, Neus³;
Hernández, Miquel³; Pucciarelli, Héctor⁴; González-José, Rolando¹*

¹Centro Nacional Patagónico. CONICET. paschetta@cenpat.edu.ar

²Universidad Nacional de la Patagonia. Puerto Madryn, Chubut.

³Universitat de Barcelona. Barcelona, España.

⁴Museo de La Plata, Universidad Nacional de La Plata. CONICET.

Entre los diferentes estímulos epigenéticos que pueden afectar la morfología de cráneo, el estrés mecánico masticatorio probablemente sea uno de los más importantes. Así, a lo largo del Holoceno, numerosas innovaciones tecnológicas en el procesamiento de los alimentos habrían causado una reducción importante en el estrés masticatorio. El objetivo de esta investigación es estimar las diferencias de grupos humanos cazadores, horticultores y agricultores del Valle del Río Ohio (USA), tanto en la forma craneofacial global como en estructuras localizadas y funcionalmente relacionadas con la mecánica masticatoria. Se analizó una base de datos correspondiente a cráneos de los períodos arcaico (cazador), Woodland (horticultor) y Late Prehistoric (agricultor de maíz). Se tomaron coordenadas de landmarks tridimensionales y se realizaron análisis multivariantes sobre las variables de forma morfogeométricas resultantes. Los resultados obtenidos permiten detectar las zonas más potencialmente afectadas por las transiciones en la dureza y abrasividad de la dieta.

Palabras clave: dieta, transición tecnológica, morfología craneofacial.

Este trabajo ha sido financiado a través del Proyecto del Ministerio de Educación y Ciencia Español MEC-FEDER (CGL2004-00903/BTE).

ANÁLISIS DE RESTOS BIOARQUEOLÓGICOS DE LA COSTA MERIDIONAL DE SANTA CRUZ

Suby, JA¹; Guichón, RA¹

¹Lab. de Ecología Evolutiva Humana, FACS, UNCPBA - Dpto. de Biología, FCEyN, UN-MdP-CONICET. jasuby@hotmail.com

En este trabajo se presentan análisis bioarqueológicos y paleopatológicos de los restos óseos humanos hallados en el marco del proyecto “Variabilidad del registro arqueológico y bioantropológico de la costa atlántica meridional patagónica” (PIP 5576). Fueron estudiados dos esqueletos humanos hallado en la región costera de amortiguación del Parque Nacional Monte León. Los materiales corresponden a un adulto y un niño, sobre los que se analizaron aspectos paleopatológicos a través de estudios macroscópicos y radiológicos. A su vez se estudiaron variables tafonómicas y de conservación. Los restos óseos mostraron, en el caso del individuo adulto, importantes marcadores de stress ocupacional en su columna vertebral, así como signos de traumatismos costales. En los restos pertenecientes al niño no pudieron identificarse alteraciones patológicas significativas. Se discuten los resultados hallados en relación a los antecedentes correspondientes al registro bioarqueológico de la región. Al mismo tiempo, en el marco del proyecto mencionado, se analizan las condiciones de conservación de los restos óseos tratados.

Palabras clave: Paleopatología Humana, Conservación, Santa Cruz

Keywords: Human Paleopathology, Conservation, Santa Cruz

PALEOPATOLOGÍA DE NOMBRE DE JESÚS

Suby, JA¹; Guichón, RA¹; Senatore, MX²

¹Lab. de Ecología Evolutiva Humana, FACSO, UNCPBA - Dpto. de Biología, FCEyN, UNMdP-CONICET. e-mail: jasuby@hotmail.com

²DIPA – IMHICIHU – CONICET – UBA

El objetivo de este trabajo es comunicar los primeros resultados de los análisis paleopatológicos realizados sobre los restos óseos humanos hallados en el sitio Nombre de Jesús (Santa Cruz, Argentina), el primer asentamiento europeo en la Patagonia (1584). Bajo la hipótesis diagnóstica de que los habitantes de Nombre de Jesús habrían sufrido episodios de stress nutricional y metabólico (según fuentes históricas), se realizaron inspecciones macroscópicas de signos patológicos, estudios radiológicos, tomográficos y densitométricos. La muestra comprende los cinco individuos hallados hasta el momento, cuatro adultos y un niño. Sobre este último se realizó un fechado radiocarbónico (475 ± 45 BP) que lo ubica dentro de rango esperado a partir de la documentación. Los resultados mostraron marcados signos de desmineralización ósea y alteraciones del tejido cortical, y signos de disrupción del crecimiento. Además se observaron importantes signos de infecciones inespecíficas y marcadores de stress ocupacional en elementos vertebrales. La información respalda la hipótesis de que los individuos del asentamiento español de Nombre de Jesús habrían estado sujetos a importantes episodios de desnutrición y alteraciones metabólicas, acompañadas por avanzados procesos infecciosos.

Palabras clave: Paleopatología Humana, Nombre de Jesús

Keywords: Human Paleopathology, Nombre de Jesús

CARACTERIZACIÓN DEL REGISTRO BIOARQUEOLÓGICO DE BAHÍA VALENTÍN, TIERRA DEL FUEGO: UNA APROXIMACIÓN DESDE LA TAFONOMÍA

*Tessone, Augusto*¹; *Kozameh, Livia*²; *Zangrando, Francisco*³;
*Vázquez, Martín*⁴; *Ceraso, Antonio*⁵

¹INGEIS – CONICET - UBA, atessone@ingeis.uba.ar; ²CIUNR-UNR; ³AIA – CONICET / UBA; ⁴CADIC - CONICET; ⁵UNLP

Las condiciones de hallazgo de los materiales óseos humanos procedentes de bahía Valentín -donde predominan restos en superficie, sin relación anatómica y con altos grados de perdidas óseas- nos condujo a evaluar en primera instancia la composición e integridad del registro bioarqueológico desde una perspectiva tafonómica. En un trabajo previo se presentaron los resultados alcanzados en el estudio de materiales obtenidos en el marco del proyecto *Arqueología de la Margen Suroriental del Archipiélago Fueguino*. En esta oportunidad, manteniendo la misma perspectiva de análisis, se incluye la muestra recuperada por el *PEOAF* entre los años 1984 y 1988. En primer lugar, se establece el número mínimo de individuos, contemplando la representación anatómica, elementos maduros o inmaduros y proximidad espacial. En segundo lugar, con el fin de identificar los procesos postmortem de destrucción y redepositación actuantes, se identificaron y cuantificaron las modificaciones de las superficies óseas del conjunto recuperado: meteorización, pérdida ósea, marcas de roedores, carnívoros y raíces y termoalteración. Finalmente, se discuten las implicaciones de los resultados obtenidos para la caracterización del registro bioarqueológico del área bajo estudio.

Palabras clave: bahía Valentín, tafonomía, cazadores-recolectores

Keywords: bahía Valentín, taphonomy, hunter-gatherers

EVOLUCIÓN DE LA FECUNDIDAD EN CÓRDOBA A FINES DEL SIGLO XVIII

Arias Toledo, B¹²; Küffer, C¹³ & Rodriguez y López, S¹

¹Cát. Antropología, Fac. Cs. Exactas, Físicas y Naturales, Uncía. ²Becario CONICET. ³Becario FONCyT - barbaraarias@gmail.com

Utilizando la base de datos del Censo de 1795, se comparó la evolución de la fecundidad en los Curatos de Punilla y Tercero Arriba (Córdoba), en los 15 años previos al censo. Contando con la reconstrucción de las 841 familias del grupo etno-social “españoles” de tales sitios, con la técnica de Hijos Propios se estimó la Tasa de fecundidad por edad (f) y la Tasa global de fecundidad (TGF) entre 1781 y 1795. También se estimó la Edad media al matrimonio (SMAM) para el año 1795. Aún sin diferencias en la TGF, los gráficos de f muestran que, mientras en Punilla las cúspides son más tempranas, en Tercero Arriba evolucionan desde cúspides tempranas tipo A en a tardías tipo B. También, mientras que el SMAM de mujeres en Punilla es de 14,36 años, en Tercero Arriba es de 17,5 años. Ello coincide con bibliografía que señala que la población de Tercero Arriba está compuesta predominantemente por hacendados españoles, que conservarían la pauta europea del matrimonio a edades tardías. Se concluye que, aún sin modificaciones en el número final de hijos, existe una diferente evolución de la fecundidad entre ambos curatos, evidenciándose crecimiento de la edad al matrimonio y rápido corrimiento de la cúspide de fecundidad en Tercero Arriba, mientras permanece relativamente estable en Punilla.

Palabras clave: fecundidad, Hijos propios, edad al matrimonio

Keywords: fertility, Own-children, age at marriage

FACTORS RELATED TO INBREEDING COMPONENTS FROM ISONYMY IN AN URBAN POPULATION: ARANJUEZ (SPAIN)

Colantonio, Sonia E¹⁴; Fuster, Vicente²⁴; Sanz Gimeno, Alberto³⁴; Reher, David, S³⁴

¹Cát. Antropología, Fac. Cs. Exactas, Físicas y Naturales, U.N.Cba. CONICET. ²Dpto Zoología y Antropología Física, Univ. Complutense Madrid. ³Dpto Sociología II, Fac. Cs. Políticas y Sociología, Univ. Complutense de Madrid. ⁴Grupo Estudios Población y Sociedad, Univ. Complutense de Madrid, España.

Usando una base de datos constituida por una muestra de 1529 familias reconstituidas residentes durante 1870-1964 en Aranjuez (España), se realizó un análisis de isonimia. Los componentes aleatorios, no aleatorios y total de la consanguinidad se obtuvieron mediante isonimia, y diferentes combinaciones de apellidos se compararon a fines de inferir los patrones patri y matrilocales de residencia. Durante el período estudiado el componente aleatorio de consanguinidad (F_r) no se modificó, en contraste con el componente no aleatorio (F_n), sugiriendo que éste puede ser responsable del cambio en la consanguinidad. Usando distinta metodología (biplot, α , γ , y porcentajes de inmigrantes) la predominancia de inmigración de novios se interpretó como un predominio de matrilocalidad en Aranjuez. También se concluye que los apellidos obtenidos de reconstituciones familiares son buenos estimadores de consanguinidad y migración.

Palabras clave: apellidos, isonimia, consanguinidad, Aranjuez

Keywords: Surnames, Isonymy, Inbreeding, Aranjuez

CAMBIO DE SOBERANÍA Y MIGRACIÓN PREMARITAL EN OLIVENZA (ESPAÑA)

Fuster, V¹; Román, J¹; Blanco, M.P.; Zuluaga, P¹; Colantonio, S.E³; Guardad, M.J⁴

¹Universidad Complutense de Madrid (España) ²Universidad de Salamanca (España). ³Universidad Nacional de Córdoba (Argentina) y CONICET. ⁴Instituto Politécnico de Castelo Branco (Portugal). vfuster@bio.ucm.es

El sistema de cruzamientos de una población determina su estructura genética, ya que de aquél dependerá que los genes de una generación persistan en la siguiente. La elección de cónyuge está condicionada principalmente por factores socioculturales y geográficos; la existencia de barreras políticas constituye un caso particular. Con el propósito de analizar si la modificación de una frontera nacional puede haber influido sobre el sistema marital, se ha considerado una localidad de Olivenza situada al suroeste de la capital española de Badajoz, entre España y Portugal, que fue transferida de dominio en 1801. A partir de la información que se extrae de los 3774 matrimonios celebrados por el rito católico entre 1750 y 1850, se cuantifica la migración premarital para cada sexo por separado, antes y después del cambio de frontera. Se pone de relieve la influencia de ese factor político sobre el patrón de migración interpoblacional.

Palabras clave: Migración, Premarital, Olivenza, Frontera.

Keywords: Migration, Premarital, Olivenza, National border.

Trabajo subvencionado por el Ministerio de Ciencia y Tecnología (Proyecto N°CGL2004-00928/BOS).

CONSANGUINIDAD EN ESPAÑOLES Y CASTAS DE CIUDAD Y CAMPAÑA DE CÓRDOBA A FINES DEL SIGLO XVIII

Küffer, Claudio F¹²; Colantonio, Sonia E¹³; Fuster, Vicente⁴

¹Cátedra de Antropología, Facultad de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales, Universidad Nacional de Córdoba. ² Becario FONCyT

³CONICET. ⁴Dpto Zoología y Antropología Física Universidad Complutense de Madrid, España. c.kr.005@gmail.com

A partir de datos del censo de 1795 para la provincia de Córdoba, se realizaron estimaciones de consanguinidad mediante isonimia para la Ciudad y la Campaña, tanto en “españoles” como en “castas”. Fueron calculados, en cada caso, el componente aleatorio (Fr), el no aleatorio (Fn), y total (Ft). Se encontraron, en ambos grupos etno-sociales, valores mayores de los citados indicadores en la Campaña que en la Ciudad de Córdoba. En Ciudad, el comportamiento de los dos grupos resultó idéntico, mientras que en Campaña estuvo más diferenciado, con mayor consanguinidad entre los españoles. Se concluyó que la Ciudad, pese al comportamiento más selectivo tradicionalmente atribuido a los españoles, presentaba características similares para ambos grupos: una población abierta y sin preferencias por elección de cónyuge isónimo. En Campaña, las estimaciones fueron de mayor magnitud para los españoles, especialmente el Fn, aunque el escaso valor de éste no sugiere una tendencia muy marcada al casamiento entre parientes. En suma, se encontró mayor diferencia dentro de cada grupo etno-social entre las dos regiones consideradas que entre ellos para la misma región.

Palabras clave: Isonimia, consanguinidad, grupo etnosocial, Córdoba.

Keywords: Isonymy, inbreeding, ethnosocial group, Córdoba.

INVERSIÓN PARENTAL EN UNA POBLACIÓN TOBA DEL OESTE FORMOSEÑO

*Lanza, Norberto*¹; *Valeggia, Claudia*²

¹Inst. de Inv. GeoHistóricas (IIGHI). Resistencia, Chaco. ²Dpto. Antropología, Universidad de Pennsylvania. nlanza@bib.unne.edu.ar

Según la hipótesis propuesta por Trivers, la mortalidad infantil y la relación de sexos al nacimiento (PSS) estarían relacionadas a través de la inversión materna, invirtiendo ésta más en el sexo que le permita el mayor éxito reproductivo. Pero esta inversión impactaría negativamente sobre su propia condición física, que iría disminuyendo con la edad. A fin de expandir la base de datos de nacimientos previa, y evaluar la PSS y la mortalidad infantil por sexo con relación a la edad materna, se trabajó con datos de una población Toba del oeste formoseño. Se consideraron 1924 nacimientos y se estimó la tasa de mortalidad como la relación entre los fallecidos entre los 0 y 18 meses y el número de nacimientos. Los resultados indican una disminución de la PSS hasta el intervalo etáreo de 35-39 años de la madre, a partir del cual se observa un fuerte incremento. La mortalidad fue siempre mayor en varones hasta las mismas edades, invirtiéndose esta tendencia a partir de allí. Estos resultados indicarían que las madres realizan, en los primeros años de su vida reproductiva, una mayor inversión en las hijas. Se discutirán posibles hipótesis para explicar estos resultados, entre ellas la hipótesis de “cuidadores en el nido”. Se elabora también sobre la importancia del tamaño muestral en el análisis de la PSS.

Palabras clave: mortalidad infantil, proporción sexual secundaria, inversión parental, Toba.

Keywords: Infant mortality, sexual ratio at birth, parental investment, Toba.

FUNCIÓN VENTILATORIA PULMONAR Y VARIABLES ANTROPOMÉTRICAS DE TAMAÑO Y FORMA

Bajo, JM; Echevarría, D; Colantonio, SE; Marcellino, AJ

Cátedra de Antropología Biológica y Cultural; Facultad de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales; Universidad Nacional de Córdoba. juanmabajo@gmail.com

El objetivo del presente trabajo fue investigar las asociaciones de 4 variables neumoespirométricas con 9 somatométricas representativas del tamaño y la forma corporal -longitudinales, areales, volumétricas y ponderales- en la adolescencia. La muestra estuvo constituida por 60 individuos de cada sexo, subagrupados en dos períodos etáreos (de 11 a 13 años y de 14 a 18 años); de nivel socioeconómico medio y medio alto. Todos ellos alumnos del Colegio Nacional de Monserrat de Córdoba. Las variables espirométricas fueron: Capacidad Vital Forzada (CVF), Volumen Espiratorio Forzado en el primer segundo (VEF_1), Flujo espiratorio Forzado entre el 25 y 75 % de la CVF (VEF_{25-75}) y Pico Espiratorio Forzado (PEF); determinadas con un neumotacógrafo de flujo computarizado. Las somatométricas: Estatura, Talla sentado, Diámetro torácico, Peso, Índice de Masa Corporal, Áreas y volúmenes (corporal total y del busto). El análisis de datos se llevo a cabo aplicando regresión-correlación múltiple (SPSS 11.5). Los resultados, hasta el presente obtenido, señalan un aumento significativo de los valores espirométricos con la edad en ambos sexos. La relación mayor queda establecida entre CVF y volumen del busto, incluso prevaleciendo sobre el Índice de Masa Corporal. La representación del cuerpo humano a través de modelos areales y volumétricos resulta más eficiente que algunos de los índices usuales para la determinación de estas asociaciones.

Palabras clave: espirometría; adolescencia; volumen corporal.

Keywords: spirometry, adolescence, body volume.

CRECIMIENTO FÍSICO, ALIMENTACIÓN Y REDES SOCIALES EN CIUDAD DE NIEVA (S.S. DE JUJUY, JUJUY)

Benavidez, Ariel CR

Instituto de Biología de la Altura, Fac. de Humanidades y Cs. Sociales,
Universidad Nacional de Jujuy. Av. 1541. benavidez@ariel.net.ar

Como parte de la tesis de Licenciatura en Antropología, se realizó un relevamiento antropométrico transversal de niños y adolescentes de familias de bajo nivel socioeconómico, residentes en el barrio Ciudad de Nieva de San Salvador de Jujuy. Se trabajó con 72 grupos familiares que reciben cobertura del Centro de Salud. Totalizaron 173 niños y jóvenes, 97 varones y 76 mujeres de 4 a 19 años. Se midió Talla Total y Peso Corporal confrontando con la referencia nacional. Se registró el contexto familiar y barrial, mediante observación en campo y entrevistas a madres seleccionadas, para conocer los hábitos alimentarios de niños y jóvenes. Los resultados mostraron diferencias entre sexos, especialmente en Talla Total. Las mujeres presentaron distribución semejante a la referencia para ambas variables. En el registro de hábitos alimentarios, se observó que los merenderos barriales tuvieron fuerte influencia en el consumo, especialmente en familias vinculadas mediante redes sociales de parentesco y con el Centro de Salud. También sobresalieron el nivel de ingreso económico, y las preferencias alimentarias de los progenitores. Los factores socioculturales tendrían fuerte influencia sobre el crecimiento físico de la población relevada, principalmente las relaciones interfamiliares, la asistencia social y las características internas de los grupos familiares.

Palabras clave: crecimiento – redes sociales – grupos familiares

Keywords: growth – social net – relatives.

VARIACIÓN DE LOS SEGMENTOS CORPORALES DE ESCOLARES PATAGÓNICOS EN BARRIOS CON DIFERENTES NBI

Botterón, TL¹; Dahinten, SL^{1,2}

¹Fac. Cs. Naturales. UNPatagoniaSJB. ²CENPAT-CONICET, Puerto Madryn. dahinten@cenpat.edu.ar

Los segmentos corporales presentan diferentes períodos de maduración, reflejando su relación con la nutrición y condicionando la expresión del dimorfismo sexual (DS). El objetivo del trabajo fue evaluar el DS observado en el crecimiento de escolares de 6 a 14 años de barrios con diferentes NBI -(NBI alto) y (NBI bajo)-. Se estudió transversalmente una muestra de 500 mujeres y 570 varones de la ciudad de Puerto Madryn, Chubut. Se relevaron: estatura total, estatura sentada (ES) y se calculó la longitud del segmento inferior (LSI) y el índice córmico (IC). Se utilizaron pruebas de Wilcoxon, $p=0.05$. La ES presentó para todas las edades valores nominales mayores en el NBI bajo ($p=0.3$) respecto al NBI alto ($p=0.22$). De igual manera se comportó la LSI ($p=0.06$ NBI bajo); ($p=0.09$ NBI alto). El IC presentó dos eventos evidentes en cada sexo: uno cercano a los 6.5 años y hasta alrededor de los 9-10 años, donde el valor del IC fue menor en las mujeres respecto de los varones y otro a los 10.5-12 años, edad a la cual los valores femeninos superaron a los masculinos (NBI bajo $p=0.16$; NBI alto $p=0.22$). La ref. NHANES presentó un comportamiento similar. Los resultados confirman la influencia que ejercen las desigualdades sociales -como agentes estresantes- sobre el crecimiento de la población infantil estudiada, cuya respuesta adaptativa difiere a la de otras poblaciones argentinas y americanas.

Palabras clave: segmentos corporales, NBI, escolares, Patagonia

Financiamiento: FONCYT (PICT 99-4-7391); PI 515/04 UNPSJB.

EVALUACIÓN DEL CRECIMIENTO Y ESTADO NUTRICIONAL DE ABORÍGENES WICHI DE CHACO

Cesani, MF^{1,2}; Garbossa, G³; Oyhenart, EE^{1, 2,4}

¹CIGEBA, FCV, UNLP, ²CONICET, ³Dto. Química Biológica, FCEN, UBA. ⁴FCNyM, UNLP. mfcesani@fcnym.unlp.edu.ar

El objetivo del presente estudio es evaluar el crecimiento de niños y adultos de siete comunidades Wichi del NE de Chaco. Se relevaron peso, talla, estatura sentado, perímetro braquial y pliegues tricípital y subescapular en 332 individuos de 2 a 60 años. Se calcularon estatura sentado relativa (ESR) y áreas muscular (AM) y adiposa (AA) del brazo. Los datos fueron transformados a puntaje z utilizando las referencias NHANES I y NHANES II. Se tomó -2 z como punto de corte para determinar baja talla/edad (BT/E) y bajo peso/talla (BP/T). Los valores z medios para peso, talla, ESR y perímetro braquial se ubicaron bajo la referencia ($0 > z > -3$). Los z de pliegue tricípital y AA fueron similares a los de la referencia y los de pliegue subescapular superiores ($0 < z < 2$). El AM varió de acuerdo al sexo: en mujeres los z promedio superaron a los de la referencia ($0 < z < 1$) y en varones fueron inferiores ($0 > z > -1$). La prevalencia de BT/E fue mayor que la de BP/T a partir de los 6 años (20% y 1% respectivamente). Sin embargo, entre los 2 y 6 años el BP/T duplicó a la BT/E (47,4% y 21,1%, respectivamente). Los resultados obtenidos indican alteraciones del crecimiento y estado nutricional de estas comunidades y especialmente de los niños menores de 6 años.

Palabras clave: crecimiento, estado nutricional, aborígenes Wichi

Keywords: growth, nutritional status, Wichi aboriginal communities

PREVALENCIAS DE MALNUTRICIÓN Y PARASITOSIS EN ÁREAS URBANAS, PERIURBANAS Y RURALES

Cesani, MF^{1,2}; Zonta, ML^{2,3}; Castro, L⁴; Torres, MF^{1,5}; Forte, LM⁶; Orden, AB^{1,2}; Quintero, FA^{1,4}; Luis, MA⁴; Sicre, ML⁴; Gamboa, MI^{3,7}; Navone, GT^{3,4}; Oyhenart, EE^{1,2,4}

¹CIGEBA, FCV, UNLP. ²CONICET. ³CEPAVE, UNLP. ⁴Facultad de Ciencias Naturales y Museo, UNLP. ⁵Facultad de Filosofía y Letras, UBA. ⁶Instituto de Geomorfología y Suelos. FCNyM, UNLP. ⁷CICPBA. mfcسانی@fcnim.unlp.edu.ar

Se analizaron el estado nutricional y las parasitosis intestinales de niños de 3 a 6 años de edad residentes en zonas urbanas (U), periurbanas (PU) y rurales (R) del partido de Brandsen. Bajo peso para la edad (BP/E), baja talla para la edad (BT/E) y bajo peso para la talla (BP/T) fueron estimados usando la referencia de CDC/NCHS. El sobrepeso (S) y la obesidad (O) fueron calculados siguiendo los criterios de la IOTF. El análisis parasitológico se realizó mediante muestras de materia fecal seriadas y escobillado anal. Las prevalencias de malnutrición y parasitosis fueron asociadas con características socioambientales de cada zona. PU presentó porcentajes de BT/E y parasitosis significativamente mayores que U ($p < 0,01$). Se registraron 8 especies parásitas en PU, 7 en U y 4 en R, siendo *E. vermicularis*, *B. hominis* y *G. lamblia* las más frecuentes. PU tuvo el mayor porcentaje de poliparasitismo. Aunque el exceso de peso fue elevado en las tres zonas, fue significativamente mayor en R respecto a U ($p < 0,01$). La zona periurbana presenta deficientes condiciones socio-ambientales para el crecimiento y salud de los niños preescolares.

Palabras clave: estado nutricional, enteroparasitosis

Keywords: nutritional status, intestinal parasites

COMPOSICIÓN CORPORAL DE ESCOLARES PERTENECIENTES A DIFERENTES CONTEXTOS SOCIOECONÓMICOS DE PUERTO MADRYN CHUBUT, ARGENTINA

Dahinten, SL^{1,2}; Botterón, TV¹

¹Fac. Cs. Naturales. UNPatagoniaSJB. ²CENPAT-CONICET, Puerto Madryn.
dahinten@cenpat.edu.ar

El desigual desarrollo del tejido muscular y de la distribución de tejido adiposo que tiene lugar durante el crecimiento humano presenta dimorfismo sexual (DS), en condiciones de vida saludables. Esta variación ha sido traducida en algoritmos utilizando la circunferencia y pliegues subcutáneos del brazo y se han elaborado ecuaciones para calcular áreas. El objetivo fue evaluar el DS observado en el crecimiento corporal de escolares de 6 a 14 años de hogares con diferente NBI -(NBI alto) y (NBI bajo)-. Se estudió transversalmente una muestra de 500 mujeres y 570 varones de la ciudad de Puerto Madryn, Chubut. Se relevaron: perímetro braquial y pliegues subcutáneos tricípital y subescapular y se calcularon las áreas adiposa (AAB) y muscular (AMB). Se utilizaron pruebas de Wilcoxon, $p=0.05$. El AAB de las mujeres fue a casi todas las edades superior a la de los varones (NBI bajo $p=0.09$; NBI alto $p=0.02$). A edades tempranas, el AMB mostró que los varones presentaron cifras similares a las mujeres. A partir de los 12 años, sin embargo, los varones comenzaron a incrementar la masa muscular. En las niñas este aumento se hizo mucho más lento (NBI alto $p=0.01$; NBI bajo $p=0.03$). La ausencia de DS en el NBI bajo, para los caracteres considerados, se relaciona con el aumento de tejido adiposo en los varones de este sector que muestra la adopción dentro de la comunidad, de dietas de alto contenido en grasas y carbohidratos acompañadas de altas tasas de obesidad.

Palabras clave: tejido adiposo, tejido muscular, escolares

Financiamiento: FONCYT (PICT 99-4-7391) PI 515 UNPSJB

HÁBITOS DE VIDA Y CONSUMO EN MUJERES CLIMATÉRICAS DEL URUGUAY

Egaña, Ana; Sevrini, Florencia

Departamento de Antropología Biológica, FHCE, Universidad de la República, Montevideo, Uruguay. analina@adinet.com.uy

Durante el climaterio se produce en las mujeres una serie de cambios fisiológicos que, en numerosos casos, originan tanto patologías físicas, como síntomas psicossomáticos denominados “síndrome climatérico”. El objetivo de este estudio es analizar la influencia de los hábitos de vida (práctica de ejercicio) y el consumo de algunos alimentos y sustancias (ingesta de productos lácteos, café, té y mate y consumo de tabaco y alcohol) en la edad de menopausia, así como en la manifestación de los síntomas y patologías asociados en tres muestras de población uruguaya. Los datos para este análisis surgen de encuestas realizadas a 100 mujeres residentes del Área Metropolitana de Montevideo y a otras 30 mujeres del interior del país (Trinidad, Departamento de Flores); y por otra parte, se obtiene información de 100 fichas médicas de pacientes que se atienden en un consultorio ginecológico. Se observan diferencias tanto en hábitos de vida y consumo de alimentos, como en la sintomatología manifestada por las mujeres según la muestra considerada.

Palabras clave: climaterio, menopausia, alimentos

Keywords: climacteric, menopause, food

ANÁLISIS DEL PESO AL NACER EN UNA POBLACIÓN TOBA DEL OESTE FORMOSEÑO

*Lanza, Norberto*¹; *Valeggia, Claudia*²

¹Instituto de Investigaciones GeoHistóricas (IGHI). Castelli 930. Resistencia. Chaco. (3500).

²Departamento de Antropología. Universidad de Pennsylvania. nlanza@bib.unne.edu.ar

La inversión materna es un importante determinante del peso al nacer. En poblaciones con fecundidad natural, esta inversión afectaría negativamente la propia condición física de la madre a medida que aumenta su edad y paridad. Estudios realizados en una población rural Toba del oeste formoseño indicaron un aumento de la masa corporal materna con la edad y un elevado porcentaje de mujeres con sobrepeso y obesidad. ¿Se traslada este aumento en las reservas energéticas maternas al peso al nacer de sus hijos? El objetivo de este trabajo fue analizar el peso al nacer de esta población aborigen en relación a la edad materna y el sexo del recién nacido. Los datos fueron tomados de registros de agentes sanitarios Toba y de la sala médica. Se analizaron 528 nacimientos (253 femeninos y 275 masculinos) desde el año 1983 al 2007. El peso al nacer mostró una asociación positiva estadísticamente significativa con la edad de la madre. Estos resultados confirmarían la condición física materna como un importante predictor del peso al nacer. Sin embargo, no se encontraron diferencias sexuales en el peso al nacer. Se hipotetiza una mayor inversión materna hacia las hijas como parte de la estrategia reproductiva materna.

Palabras clave: inversión parental, sobrepeso, obesidad, Toba, peso al nacer.

Keywords: Parental investment, overweight, obesity, Toba, birth weight.

ESTADO NUTRICIONAL INFANTO-JUVENIL EN RELACIÓN CON EL CONTEXTO SOCIOAMBIENTAL URBANO Y RURAL

Luis, MA¹; Castro, L¹; Forte, LM¹; Sicre, ML¹; Cesani, MF^{2,3}; Quintero, FA^{1,2}; Torres, MF⁴; Luna, ME²; Zucchi, M^{2,3}; Orden, AB^{2,3}; Oyhenart, EE^{1,2,3}

¹Facultad de Ciencias Naturales y Museo (UNLP); ² CIGEBA, FCV, UNLP; ³ CONICET;

⁴Facultad de Filosofía y Letras, UBA.

El objeto del presente trabajo es analizar las condiciones socioambientales y su correspondencia con el estado nutricional en 3227 niños de 4 a 14 años del departamento de General Alvear (Mendoza). El contexto socioambiental se evaluó a partir de encuestas estructuradas. Se relevaron peso corporal y talla y se calculó el índice de masa corporal. Los datos fueron estandarizados a puntaje z empleando NCHS. Para determinar bajo peso para la edad (BPE), baja talla para la edad (BTE) y bajo peso para la talla (BPT) se tomó como punto de corte -2DS. El sobrepeso (S) y la obesidad (O) fueron establecidos mediante la referencia IOTF. Sobre los datos de la encuesta socioambiental se realizó Análisis de Componentes Principales para variables categóricas (catACP). De las dos primeras dimensiones del análisis se definieron cuatro subpoblaciones: tres de ellas fueron asociadas a características urbanas, mientras que la otra se la identificó como rural. En cada una se analizaron las prevalencias de desnutrición y exceso de peso mediante modelo lineal generalizado con “link” logit. Las subpoblaciones mostraron diferencias en el estado nutricional. Los niños rurales y periurbanos mostraron las mayores tasas de BPE y BTE. El BPT fue mayor entre los rurales. S fue similar entre grupos, mientras que O fue significativamente mayor en los niños urbanos de ingresos medios. Los resultados muestran los efectos negativos del ambiente rural y periurbano sobre el estado nutricional. No obstante, las condiciones socioambientales urbanas, también inciden negativamente, por cuanto se registran elevados porcentajes de obesidad.

Palabras clave: estado nutricional, condiciones socio-ambientales, urbano, rural

Keywords: Nutritional status, environmental conditions, urban, rural

CAMBIO SECULAR EN LA ESTATURA ADULTA CHOROTE

Méndez, Marta G¹; Ferrarini, Stella O¹

¹Facultad de Ciencias Naturales y Museo, UNLP; ²CONICET. mmendez@fcnym.unlp.edu.ar

La estatura adulta es un indicador de la solvencia biológica de un individuo en la distribución energética de su historia vital. Constituye un *proxy* de la disponibilidad total de nutrientes y de los gastos en la defensa inmune durante el período de crecimiento. Es, por lo tanto, rotuladora de potencial reproductivo en las sociedades con variaciones estacionales de niveles de recursos. En este trabajo se analizan los efectos del cambio secular en la estatura total en 198 individuos adultos de ambos sexos nacidos entre 1861 y 1953, con edades entre 17 y 75 años, distribuidos en dos conjuntos de datos. La información fue agrupada por sexo y se calcularon promedio, DS y CV para cada uno de ellos. Las diferencias fueron testeadas en su significación a través de la prueba “t” entre sub-muestras del mismo sexo y sobre sub-muestras parciales de individuos \leq de 45 años, para controlar los efectos del envejecimiento sobre la variable. Se analizaron, además, las diferencias en la estatura total sobre dos sub-muestras del mismo sexo contenidas en una misma banda etaria (20-30 años), lo cual permitió el cálculo del coeficiente de aumento diacrónico de la estatura en un período medio de 64 años. Los resultados demuestran que: a) la estatura masculina es mayor que la femenina; b) hay aumento temporal en las sub-muestras de los hombres \leq de 45 años con diferencias significativas a nivel 0,02 para 2P; c) en las sub-muestras de mujeres \leq de 45 años las diferencias no son significativas; d) el coeficiente de aumento diacrónico de la estatura es 0,4mm por año para los hombres y nulo para las mujeres. Se concluye que los hombres, controlado el efecto del envejecimiento, manifiestan un discreto aumento secular que favorece la hipótesis según la cual los varones presentarían una eco-sensibilidad más acentuada que las mujeres. Estas, al mantener su tamaño corporal más estable, garantizaron los recursos energéticos para optimizar su desempeño reproductivo.

Palabras clave: estatura, cambio secular, teoría de la historia vital.

Keywords: height, secular change, life history theory.

DIFERENCIAS ANTROPOMÉTRICAS EN ESTUDIANTES CON EXTRA EDAD ESCOLAR: RESULTADOS PRELIMINARES EN DOS ESCUELAS PÚBLICAS DE LA CAPITAL JUJEÑA (ARGENTINA)

Ocampo, SB; CAZÓN, LN

Instituto de Biología de la Altura - Fac. de Cs. Agrarias - Fac. de Humanidades y Cs. Sociales (Universidad Nacional de Jujuy). Av. Bolivia 1661 (4600) S. S. de Jujuy.
socampo@inbial.unju.edu.ar

A partir de las implicancias que retraso en el crecimiento físico se corresponda con extra edad escolar, definimos dos conjuntos respecto de la situación “cursada escolar según edad cronológica”: acorde con la edad y extra edad. Los datos proceden de estudiantes asistentes de primer a séptimo grado (6 a 15 años de edad) a quienes les medimos talla total, peso corporal, espesor de los pliegues cutáneos adiposos tricipital, subescapular y abdominal y perímetros cefálico, braquial y de pierna. La confrontación de promedios por edad cronológica indicaría diferencias significativas ($p < 0,05$) con más variables antropométricas involucradas a la edad de 10 tanto en varones como en ambos sexos conjuntamente; mientras mujeres lo mostraría a la edad de 8. Perímetro cefálico sería la variable con más diferencias significativas por edad. Discutimos la inexistencia de diferencias desde los 11 años y empuje puberal; la magnitud del subconjunto “extra edad escolar”: veinte por ciento de los estudiantes medidos; así como la necesidad de intervenir lo antes posible para cubrir los requerimientos biopsicosociales de cada infante.

Palabras clave: Variables antropométricas - Extra edad escolar - Retraso - Crecimiento físico - San Salvador de Jujuy.

MINGA EN XUXUY: LA OPORTUNIDAD DE SOCIALIZAR EL CONOCIMIENTO A TRAVÉS DEL VOLUNTARIADO UNIVERSITARIO

Ocampo, SB; Quintana, SB; Benavidez, ACR; Flores, DA

Instituto de Biología de la Altura – Fac. de Humanidades y Ciencias Sociales. Universidad Nacional de Jujuy. Av. Bolivia 1661 San Salvador de Jujuy. socampo@inbial.unju.edu.ar

Con el propósito de lograr que cada familia de niños y jóvenes se apropie responsablemente del conocimiento acerca de cómo crecen sus niños y adolescentes, se puso en marcha el proyecto de voluntariado universitario Minga en Xuxuy: trabajo conjunto por niños y adolescentes. Se implementaron talleres participativos destinados a madres, padres y tutores de tres grupos poblacionales seleccionados (dos de San Salvador de Jujuy y uno de Abra Pampa), tendientes a la apropiación de la técnica de medición ponderoestatural así como su evaluación respecto de las referencias (nacional e internacional), tanto por percentiles como por estandarización. Si bien la respuesta a las convocatorias fueron escasas, quienes asistieron mostraron participación altísima, lográndose la concientización acerca del rol como primeros agentes de monitoreo y control del estado nutricional de niños y adolescentes.

Palabras clave: Peso - Estatura - Aprendizaje familiar - Voluntariado universitario - Jujuy

Keywords: growth - social net - relatives.

Financiamiento: Secretaría de Políticas Universitarias Resol SPU 7/06

CRECIMIENTO FÍSICO Y ALIMENTACIÓN EN CONTEXTOS URBANOS. EXPLORACIÓN EN BARRIO NORTE, SAN SALVADOR DE JUJUY

Quintana, Sonia Beatriz

Instituto de Biología de la Altura - Universidad Nacional de Jujuy.
squintana@inbial.unju.edu.ar

Una comprensión integral de la influencia del ambiente en el crecimiento físico humano, requiere abordar el problema de investigación desde diferentes aproximaciones, con sus correspondientes categorías e indicadores. Con el propósito de explorar la relación entre crecimiento físico, y alimentación en hogares de un barrio de la capital jujeña, estimamos las Velocidades de Crecimiento (VC) de Estatura y Peso en los estudiantes de la Escuela N° 430 de Barrio Norte, y analizamos variables alimentarias y sociodemográficas en una muestra de hogares de la misma población. El análisis antropométrico indicó, por confrontación con la referencia internacional, mayores frecuencias que las esperadas por sobre el percentil 90 para VC de Peso Corporal; así como por debajo de 10° -en mujeres- y sobre 90° en ambos sexos, para VC de Talla Total. Estos resultados coinciden con el registro familiar de una alimentación desbalanceada, basada principalmente en el consumo de hidratos de carbono y que pareciera asociada a la capacidad adquisitiva de las familias.

Palabras clave: Velocidad de crecimiento - Variables alimentarias y sociales - Escolares - San Salvador de Jujuy

COMPOSICIÓN CORPORAL EN ESCOLARES DE GENERAL ALVEAR (MENDOZA)

Sucre, ML^{1,3}; Orden, AB^{2,4}; Torres, MF^{2,5}; Castro, L¹; Cesan, MF^{2,4}; Luis, MA¹; Quintero, FA^{1,2}; Oyhenart, EE^{1,2,4}

¹Facultad de Ciencias Naturales y Museo, UNLP; ²CIGEBA-Facultad de Ciencias Veterinarias, UNLP; ³ANPCyT; ⁴CONICET; ⁵Facultad de Filosofía y Letras, UBA.
mleonorsicre@yahoo.com.ar

El objetivo del presente trabajo es analizar la composición corporal en niños con diferente estado nutricional. Se realizó un estudio transversal en 2997 escolares de ambos sexos comprendidos entre los 5 y los 12 años residentes en la ciudad de General Alvear (Mendoza). Se relevaron peso corporal, estatura total y sentado, perímetro braquial y pliegues subescapular y tricúspital. Se calcularon las prevalencias de desnutrición y sobrepeso, los índices de masa corporal, subescapular/tricúspital (IST) y las áreas muscular y adiposa. Las prevalencias obtenidas indicaron que, mientras la desnutrición tuvo porcentajes cercanos al 8%, el sobrepeso alcanzó el 14%. El 62% de los escolares desnutridos y el 37% con sobrepeso presentaron déficit de tejido muscular. En el grupo de niños desnutridos no hubo exceso de tejido adiposo, en tanto que en aquellos con sobrepeso alcanzó el 41% con un patrón de distribución predominantemente centralizado. El 45% de ellos registró adiposidad abdominal y el 20% riesgo de padecerlo. Los resultados obtenidos permiten identificar dos situaciones problemáticas: la reducción del tejido muscular en ambos extremos de la malnutrición y la distribución centralizada de la adiposidad en el grupo con sobrepeso que puede asociarse a un mayor riesgo de padecer enfermedades crónicas no transmisibles.

Palabras clave: desnutrición, obesidad, composición corporal

Keywords: undernutrition, obesity, body composition

ASOCIACIÓN ENTRE MENARCA Y CARACTERÍSTICAS ANTROPOMÉTRICAS

*Torres, MF^{1,2}; Orden, AB^{2,3}; Castro, L⁴; Cesani, MF^{2,3}; Luis, MA⁴;
Quintero, FA⁴; Oyhenart, EE^{2,3,4}*

¹Facultad de Filosofía y Letras, UBA; ²CIGEBA-Facultad de Ciencias Veterinarias, UNLP;

³CONICET; ⁴Facultad de Ciencias Naturales y Museo, UNLP. fernandatib@yahoo.com.ar

El objetivo del presente estudio fue analizar la asociación entre menarca y características antropométricas en niñas de 8 a 16 años. Peso, estatura, pliegues tricípital y subescapular fueron relevados en dos muestras procedentes de Santa Rosa (SR) (N=1191) y La Plata (LP) (N=1283). La edad de la menarca se determinó mediante método retrospectivo. Los datos fueron procesados aplicando un modelo de regresión logística, siendo la menarca la variable dependiente. Aunque la edad de menarca fue de 11.8 años en LP y de 11.9 años en SR, la diferencia fue no significativa por lo cual ambas muestras fueron agrupadas. La edad fue la variable con mayor efecto sobre la menarca (z: 16.0, p<0.000), seguida por la talla (z: 6.3, p<0.000) y el peso (z: 4.9, p<0.000). El pliegue tricípital fue no significativo. A igual talla, el pliegue subescapular fue una variable predictora de la menarca (z: 2.8, p<0.005). Sin embargo, al ingresar el peso en el modelo el signo de la estimación se tornó negativo. Es decir que a igual edad, peso y talla, las niñas con menor pliegue tuvieron mayor probabilidad de menarca. Se concluye que los cambios morfológicos más importantes asociados a la menarca ocurren en peso y talla, mientras que la adiposidad podría ser una posible consecuencia de dicho evento y no una variable determinante o independiente.

Palabras clave: menarca, antropometría, composición corporal.

Keywords: menarche, anthropometry, body composition.

DIVERSIDAD Y ESTRUCTURA GEOGRÁFICA DE LINAJES MATERNOS AMERICANOS EN EL TERRITORIO DE CÓRDOBA

García-Ministro, Angelina¹; Bravi, Claudio M²; Demarchi, Darío A¹

Museo de Antropología, FFyH, UNC; IMBICE¹, CONICET² dariodemarchi@gmail.com

Se analizaron 112 secuencias de la Región Hipervariable I del ADN mitocondrial, pertenecientes a individuos de diferentes localidades de la provincia de Córdoba, previamente asignados a uno de los cuatro haplogrupos americanos a partir de análisis de RFLP. Se detectaron 41 linajes distintos, definidos por 37 sitios variables, los cuales no revelaron una diferenciación evidente por localidad, ya que haplotipos idénticos fueron compartidos por más de una población. El análisis molecular de la variancia (AMOVA) se realizó considerando cuatro subregiones: Ansenusa, Noroeste, Norte y Traslasierra. El resultado mostró que el 99,4% de la variabilidad genética se distribuye dentro de las subregiones, correspondiendo a la diferenciación intergrupala solamente el 0,6% ($F_{ST} = 0,006$, $p = 0,27$). Es decir, existe una gran homogeneidad en la distribución de la variabilidad genética. El análisis interpoblacional incluyó a 28 poblaciones de Sudamérica a partir de datos publicados. La diversidad nucleotídica en la muestra Córdoba fue similar al promedio observado para el resto de las poblaciones ($\Pi = 0,015$). El coeficiente de diferenciación interpoblacional fue alto y estadísticamente significativo ($F_{ST} = 0,276$, $p = 0,000$). Los F_{ST} de a pares, entre Córdoba y el resto de las poblaciones, fueron estadísticamente significativos, excepto con tres poblaciones de los Llanos de Moxos (Bolivia) y una población Mapuche de Argentina.

Palabras clave: ADNmt RHV-I, AMOVA, Sudamérica

Keywords: mtDNA HVR-I, AMOVA, South America.

AMISTAD ENTRE MACHOS ADULTOS DE MONOS AULLADORES NEGROS Y DORADOS (ALOUATTA CARAYA)

Kowalewski, M^{1,2}; Peker, S²; Oklander, L²; Zunino, G²

¹Dept. of Anthropology, University of Illinois at Urbana Champaign; ²Museo Argentino de Cs. Naturales- EBCo, Argentina. markowfield@yahoo.com.ar

El éxito reproductivo de los machos depende fundamentalmente del número de hembras que puedan fertilizar. Por lo tanto, los machos deberían competir activamente por las fertilizaciones. Sin embargo, en muchas especies de primates no-humanos, los machos conviven pacíficamente en grupos sociales. En este estudio exploramos las relaciones afiliativas entre machos de *Alouatta caraya* en la Isla Brasilera (27° 20' S-58° 40' W) en el Noreste argentino. Dos grupos multimacho fueron estudiados durante 5 días por mes durante el año 2004. Definimos amistad como las interacciones afiliativas en diadas incluyendo proximidad, tolerancia durante la alimentación, interacciones de acicalamiento, y soporte en coaliciones. Por ejemplo, encontramos que los índices de asociación entre individuos basados en distancias y acicalamiento, difieren significativamente de lo esperado por azar a lo largo del año y en diferentes contextos comportamentales ($p < 0.05$). Esto sugiere la existencia de pares de machos que se asociaron con mayor frecuencia que lo esperado por azar en ambos grupos. La existencia de afinidad social entre machos emparentados y no emparentados nos presenta nuevas preguntas en el estudio de la evolución de la amistad en primates no-humanos. Este tipo de estudios permite modelar nuevas ideas acerca de la historia evolutiva de la amistad en humanos.

Palabras clave: Amistad, afinidad social, tolerancia *Alouatta caraya*

Keywords: friendship, tolerance, social affinity.

LINAJES ANTROPONÍMICOS Y GENÉTICOS EN EL NOA: CONCORDANCIAS Y DISCREPANCIAS

*Muzzio, M⁽¹⁾; Alfaro, EL⁽²⁾; Dipierri, JE⁽²⁾; Motti, JMB⁽¹⁾;
Bianchi, NO⁽¹⁾; Bailliet, G⁽¹⁾*

¹IMBICE, ²INBIAL. UNJu. marinamuzzio@yahoo.com.ar

De acuerdo a la teoría isonímica, se espera que dentro de una población los individuos con el mismo apellido tengan ancestros comunes. El objetivo de este trabajo fue evaluar la concordancia entre apellidos y haplotipos holándricos en individuos del NOA. Se analizaron muestras de 92 varones seleccionados al azar provenientes de Salta, Tucumán y Catamarca, abarcando 34 apellidos distintos. Los haplotipos del cromosoma Y se establecieron a través de 7 microsatélites (DYS 19, 389 a y b, 390, 391, 392 y 393). Se identificaron 87 haplotipos, 83 (95,4%) fueron únicos y 4 (4,6%) compartidos. Tres individuos compartieron el mismo apellido y haplotipo y este fue de origen nativo americano. Seis individuos se agruparon de a dos en tres haplotipos, con apellidos distintos (trans-apellidos), uno de ellos fue de origen nativo americano y los otros dos europeo. Aún cuando las muestras fueron seleccionadas al azar, el 3,3% de los individuos compartieron apellido y haplotipo del cromosoma Y, denotando una concordancia entre los dos sistemas. El alto porcentaje de haplotipos únicos revela la magnitud de la migración pasada y reciente en la región. Estos resultados demuestran la importancia de los procesos de disrupción étnica y transmisión irregular de los apellidos, que influyen sobre la compleja antroponimia de esta región.

Palabras clave: apellidos, cromosoma Y, NOA

DISTRIBUCIÓN ALÉLICA DEL LOCUS HLA-DRB1 EN POBLACIONES SUDAMERINDIAS. SUS RELACIONES BIOLÓGICAS A NIVEL INTERCONTINENTAL

Parolín, ML; Carnese, FR

Sección Antropología Biológica, I.C.A., Facultad de Filosofía y Letras, UBA.
antbiol@filo.uba.ar

El estudio de la variabilidad del locus HLA-DRB1 en los amerindios, permitió identificar numerosos alelos que son característicos y constituyen una excelente herramienta para definir sus relaciones y afinidades biológicas. Mediante técnicas moleculares de PCR-SSOP y PCR-SSP se determinaron los alelos del locus HLA-DRB1 en cuatro poblaciones sudamerindias: mapuche (n=34) y tehuelche (n=23) de la Patagonia Argentina, wichi (n=24) y lengua (n=17) del Chaco Argentino y Paraguayo. Se observaron elevadas prevalencias de los alelos DRB1*0403, *0407, *0802, *0901, *1402, *1406 y *1602. Estas variantes caracterizan a las poblaciones amerindias y son, en parte, compartidas con grupos del noreste asiático. A su vez, se confirmó la presencia del alelo DRB1*0417 detectado, exclusivamente, en poblaciones del Chaco Argentino. Nuestros datos se compararon con los obtenidos por otros autores en 70 poblaciones mundiales, con el fin evaluar sus relaciones y afinidades biológicas. El dendrograma de distancias genéticas mostró una clara divergencia entre las poblaciones de América y Siberia por un lado, y de Europa, África, Oceanía y resto de Asia, por el otro. Los mapuche y tehuelche conformaron un núcleo de similitud genética con poblaciones de origen Andino, mientras que los wichi y los lengua se unieron a las poblaciones del Gran Chaco Argentino. Estos resultados se corresponden con la información lingüística, geográfica y con las relaciones interétnicas establecidas en el tiempo y en el espacio entre los grupos estudiados.

Palabras clave: HLA-Amerindios-Variabilidad / HLA-Amerindians-Variability.

Apoyo Financiero: CONICET- UBACyT

LA AGRESIÓN Y EL ACICALAMIENTO: DOS COMPORTAMIENTOS DEL MONO AULLADOR NEGRO Y DORADO (*ALOUATTA CARAYA*), APLICADOS PARA DETERMINAR LAS RELACIONES DE DOMINANCIA

Peker, S¹; Oklander, L¹; Kowalewski, MM^{1,2}

¹Estación Biológica Corrientes- Museo Argentino de Ciencias Naturales “B Rivadavia”.

²Dept. of Anthropology-University of Illinois at Urbana-Champaign, USA.

La competencia y la agresión, son consideradas fundamentales para entender el origen de la vida social en grupos de humanos y primates no-humanos. En este marco, las jerarquías de dominancia determinadas a través de interacciones agonistas, son relacionadas con el éxito reproductivo de los machos. Por otro lado, el rango de dominancia en muchos primates se relaciona con la cantidad de acicalamiento recibido. Existe un nuevo enfoque para estudiar la organización social de los primates, que incluye los comportamientos de coordinación, negociación, reconciliación y cooperación. El objetivo de este estudio preliminar fue comparar las relaciones de dominancia que se obtuvieron mediante interacciones agonistas, con las que se obtuvieron mediante un comportamiento cooperativo como el acicalamiento. Estudiamos un grupo de *Alouatta caraya* durante 164 horas en el verano de 2002, en la “Isla Brasileira” (27° 20' S-58° 40' W). El macho dominante recibió una mayor frecuencia de acicalamiento (45.7%, $p < 0.05$). Este estudio propone que el acicalamiento constituye un índice más preciso que las interacciones agresivas para describir las relaciones de dominancia y afiliación en grupos sociales.

Palabras clave: Dominancia, dominance, acicalamiento, grooming *Alouatta caraya*

EL CONCEPTO DE RAZA EN ANTROPOLOGÍA BIOLÓGICA

Perosino, Maria Celeste

Equipo Argentino de Antropología Forense. mcperosino@hotmail.com

En el ámbito de la Antropología Biológica el concepto de Raza es definido, entendido y aplicado de diversas maneras. La tendencia claramente señala que la actitud de los científicos frente a este concepto, según numerosas investigaciones, estaría tornándose cada vez más crítica. En el presente trabajo expondremos los resultados obtenidos a partir de un sondeo realizado entre los Antropólogos Biólogos de la Argentina con el fin conocer su posición frente al uso de este término. A su vez contrastaremos la visión de los antropólogos biólogos argentinos con la actitud de sus pares en Estados Unidos, Cuba, Europa y Asia. Las diferencias y coincidencias entre estas visiones serán explicadas y fundamentadas por problemas semánticos, por las distintas tradiciones académicas y por una concepción diferencial de lo que raza significa a nivel social.

Palabras clave: Raza - Antropología Biológica - Cambios - Continuidades-
Revisión mundial.

Keywords: Race - Biological Anthropology - Changes - Continuities - World
Revision.

PREFERENCIAS MATRIMONIALES EN EL ÁREA DE LOS CERRILLOS CANELONES - URUGUAY

*Abin, Emilia; Barboza, María Julia; dos Santos, Soledad; Egaña, Ana;
González, Ma. Noel; Pascual, Cecilia; Vera, Eglé; Barreto, Isabel*

Departamento de Antropología Biológica, FHUCE - UDELAR
proyecto_canarios@gruposyahoo.com.ar

El objetivo de la investigación es estudiar las preferencias matrimoniales de la segunda y tercera generación de descendientes de inmigrantes canarios en el área de influencia de Los Cerrillos, Departamento de Canelones, Uruguay. A partir de 105 entrevistas realizadas a los descendientes canarios establecidos en la zona, se realizó la reconstrucción genealógica a través del programa GenoPro (2095 individuos en total, 67 ancestros fundadores), con el fin de estimar las preferencias matrimoniales de los mismos. Los resultados obtenidos muestran una tendencia a uniones dentro del grupo de pertenencia, encontrándose valores altos de endogamia y consanguinidad; los cuales se mantienen a través de varias generaciones. Se discute si las causas que contribuyen a mantener esta conducta en la elección del cónyuge, son de carácter cultural (la búsqueda de reafirmar la identidad como elemento unificador), geográfico (la existencia de barreras naturales que aislan a las familias) o económicas (mantener dentro de la familia los bienes y la tierra adquiridas).

Palabras clave: endogamia, consanguinidad, canarios.

Keywords: Endogamy, consanguinity, canarians.

CONSANGUINIDAD POR ISONIMIA EN SALTA

*Albeza, María V^{1,2,3}; Acreche, Noemí^{2,3,4}; Pucci Olleta, Ana^{2,3};
Montes, Noelia²; Caro, Delia F²*

¹Bioantropología. Fac. Cs Naturales, UNSa. ²Fundamentos de Antropología Biológica. Fac. Humanidades, UNSa. ³CIUNSa. ⁴Evolución. Fac. Cs Naturales, UNSa.
mvalbeza@unsa.edu.ar

Se estimó el coeficiente de parentesco por isonimia para localidades de la Puna, Valle Calchaquí y Valle de Lerma, a fin de evaluar diferentes factores evolutivos que podrían estar afectando la composición genética de la población. A partir de los apellidos de las parejas consignadas en fuentes primarias de información, se estimó la isonimia conyugal o marital, el coeficiente total F_t y sus componentes F_r (inbreeding azaroso) y F_n (inbreeding no azaroso). De las localidades estudiadas, en la Puna se ha detectado sólo una pareja isónima en una de ellas, en el Valle Calchaquí, tres y ninguna en el Valle de Lerma. Tanto en el Valle Calchaquí como en el de Lerma, se han estimado valores negativos de F_r , y en la Puna se registran los valores más elevados. En las localidades estudiadas no se cumple el supuesto de transmisión patrilineal de apellidos por lo que los valores de F_r y por ende de F_t podrían estar subestimados. Es por ello que sería necesario contar con información desde otras vertientes metodológicas para corroborar, complementar y manejar cuidadosamente el análisis de los datos y las conclusiones que se obtienen.

Palabras clave: consanguinidad, isonimia, apellidos, Salta.

Keywords: isonymy, consanguinity, surname, Salta.

ANÁLISIS DE MARCADORES DE HERENCIA UNIPARENTAL EN “LA ESPERANZA” (SAN PEDRO, JUJUY)

Altuna, M Eugenia¹; Modesti, Nidia M¹; Demarchi, Darío A²

¹Unidad CEPROCOR, Agencia Córdoba Ciencia, Córdoba

²Museo de Antropología, FFyH, UNC. dariodemarchi@gmail.com

En el presente trabajo se analizó una muestra de pobladores “criollos” obtenida en el Ingenio La Esperanza (San Pedro, Jujuy) constituida por 92 individuos (38 varones, 54 mujeres) en los polimorfismos que definen los 4 linajes maternos amerindios, y en 11 microsatélites (STRs) del cromosoma Y. El ADN fue extraído a partir de hisopados bucales. Los polimorfismos mitocondriales fueron determinados a través de protocolos ya publicados. Los STRs del cromosoma Y fueron tipificados empleando el kit *Powerplex Y-system* (Promega) y el analizador genético *ABI 3130xl*. El 91% de los individuos analizados posee uno de los 4 linajes maternos amerindios, distribuidos según las siguientes proporciones: Linaje A 11%, B 49%, C 18% y D 23%. Esta distribución de frecuencias resulta similar a la observada en poblaciones de la región chaqueña. En cuanto a los linajes paternos, se encontraron 34 haplotipos diferentes, de los cuales sólo 3 se repitieron, lo que sugiere gran heterogeneidad en la población. De la búsqueda en el *Y Chromosome Haplotype Reference Database* se infiere que 11 de los haplotipos encontrados serían amerindios, 14 europeos, 2 árabes y 2 africanos. Los restantes individuos requerirán el análisis de marcadores bialélicos para poder ser asignados de manera inequívoca.

Palabras clave: Ancestros genéticos, ADNmt, Cromosoma Y.

Keywords: Genetic ancestors, mtDNA, Y-Chromosome.

ANÁLISIS DE VARIANTES DE HPV-16 COMO MARCADOR MOLECULAR ANTROPÓLOGICO

*Badano, I¹; Basiletti, J²; Tonon, SA^{†1}; Liotta, J¹; Picconi, MA²;
† Sergio, A. Tonon (1964-2006)*

¹LaBiMA. FCEQyN. UNaM. ²Servicio Virus Oncogénicos, INEI-ANLIS “Dr. Carlos G. Malbran”, Buenos Aires, Argentina. inesbadano@yahoo.com.ar

El Virus Papiloma Humano tipo 16 (HPV16) es el principal responsable del desarrollo del cáncer de cuello uterino. Además de su significado clínico, el estudio de la variación genética en las regiones E6, L1 y LCR de este virus ha permitido identificar *variantes* específicas de diferentes áreas geográficas. Este descubrimiento sugiere una antigua propagación del HPV16 y su coevolución con el género humano. En este contexto, las variantes podrían servir como marcador molecular antropológico, aportando nuevos datos al análisis de patrones migratorios humanos. El objetivo del trabajo fue determinar las variantes de HPV16 en las regiones genéticas E6 y L1 que infectan mujeres guaraníes de Misiones. Para ello se analizaron 39 muestras de cepillados cervicales de mujeres guaraníes infectadas con HPV16. Las variantes en E6 y L1 se identificaron por PCR e hibridación en dot blot. Los resultados obtenidos fueron: el 77% de las variantes Europeas, 20% Africanas y 3% Asiático Americanas. La baja prevalencia de variantes Asiático Americanas coincide con lo reportado por Picconi y col, 2002 para mujeres quechuas, y haría suponer una limitada diseminación del HPV16 durante la época prehispanica. El predominio de las variantes Europeas podría ser resultado de la colonización española y la inmigración europea, mientras que el tráfico de esclavos negros explicaría la presencia de variantes Africanas. Por otra parte, la hipótesis de competencia viral tampoco puede ser descartada.

ESPACIOS COMUNITARIOS, RITUAL FUNERARIO Y BIOARQUEOLOGÍA SOCIAL EN EL SITIO 2(I) DE CAMPO DEL PUCARÁ, CATAMARCA: UN CASO DE ESTUDIO

Barrales, Paulo; Leiton, Diego

Instituto Interdisciplinario de Estudios Andinos. Universidad Nacional de Tucumán.
E-mail: paulobarrales@yahoo.com

En los asentamientos Alamito de Campo del Pucará (ca. 200-500 DC) las áreas de ‘cobertizos’ constituyeron ámbitos comunitarios en los cuales asumió un rol destacado la conmemoración social a través de rituales funerarios de entierro, desentierro y manipulación de cuerpos humanos. Esta relación nos plantea una trama compleja de la vida social cuya comprensión requiere profundizar no sólo aquello que remite a las relaciones desenvueltas en estos espacios comunitarios, sino también a la historia y estilo de vida de las personas cuyos cuerpos fueron en ellos inhumados. El objetivo de este trabajo es realizar una primera contribución al respecto, a partir del análisis bioarqueológico de los restos óseos de un individuo que fue enterrado en los dominios comunitarios del sitio 2(I) de Alamito junto a objetos de características y biografías particulares. El análisis de los indicadores biosociales analizados sugieren que los restos corresponden a un individuo masculino adulto maduro con buen desarrollo nutricional que se había involucrado activamente con el modo de vida de su comunidad, comprometiendo su cuerpo en actividades que requirieron repetidos esfuerzos físico-mecánicos, el uso recurrente de la dentadura como herramienta de trabajo y aparato procesador de sustancias abrasivas, y la exposición de su cráneo a impactos severos originados tal vez en enfrentamientos interpersonales.

Palabras clave: biografía humana; espacio residencial; comunidades agropastorales; Período Formativo NOA

Keywords: human biography; residential space; agropastoral communities; Formative Period NOA

DENTOCRONOLOGÍA: RELACIONES TEMPORALES DE UNA MUESTRA DEL NOROESTE ARGENTINO

Bollini, Gabriel A

Facultad de Ciencias Naturales y Museo. UNLP. gabrielbollini@yahoo.com.ar

La morfología dentaria ha sido utilizada por Turner (1986) para establecer distancias biológicas comparando distintos rasgos extraídos de la corona y la raíz. Con estos datos sugirió que el promedio mundial de tasa de microevolución es de 0,01003 con un error de 0,004 del valor de la Medida Media de la Divergencia cada 1000 años. Utilizando este método se ha calculado la distancia de separación temporal entre una serie de cráneos de aborígenes del noroeste argentino y poblaciones mundiales de distintos continentes considerando caracteres dentales discontinuos. Los resultados obtenidos muestran que las poblaciones asiáticas del noreste de China son las de separación más reciente (0,1441), seguidas por las poblaciones de los japoneses modernos (0,1603) y los urga-mongoles un poco más alejados (0,2070) Mayor separación muestran las poblaciones ancestrales japonesas como los Jomon (0,4627) y Ainu (0,5643). Las mayores distancias y, por lo tanto, separaciones temporales presentan las poblaciones del Sudeste asiático (0,9821) y australianas (1,1936). Cuando se comparan con poblaciones americanas los menores valores se encuentran con los Dakotas del sur (0,0881) con valores aún inferiores a las halladas para los Chinos del NE. En concordancia con estudios de otros autores, las poblaciones africanas y europeas son las que presentan los mayores tiempos de separación con la serie argentina estudiada. Los valores obtenidos apoyan la hipótesis de poblamiento enunciada por Turner.

Palabras clave: dentocronología, caracteres dentales discontinuos, aborígenes del noroeste argentino.

Keywords: dentochronology, discontinuous dental characters, argentine north-west aboriginals.

ESTRUCTURA ISONÍMICA DE LA CIUDAD AUTÓNOMA DE BUENOS AIRES

*Bronberg R, Rubén¹; Dipierri, José E²; Alfaro, Emma L²; Barrai, Italo³;
Rodríguez Sarralde, Álvaro⁴; Castilla, Eduardo E⁵; Bailliet, Graciela⁶*

¹Hospital Nacional Montes de Oca; ²UNJU; ³Universidad de Ferrara; ⁴IVIC; ⁵ECLAMC-CEMIC-CONICET; ⁶IMBICE. rabronberg@yahoo.com.ar

Debido a que los apellidos proporcionan información sobre la estructura genética de las poblaciones humanas el objetivo de este trabajo fue analizar la estructura isonímica de la Ciudad Autónoma de Buenos Aires (CABA). Sobre la base de los apellidos de 2.552.359 electores de las 28 circunscripciones electorales de la CABA se calcularon los siguientes parámetros isonímicos: R_i de Lasker, α de Fisher y consanguinidad por isonimia al azar (ϕ). Los R_i entre circunscripciones se correlacionaron con las distancias geográficas calculadas asignando un punto arbitrario a cada circunscripción y midiendo las distancias en un plano a escala 1:1200. El promedio del $R_i * 10^5$ y de la $\phi * 10^4$ de las circunscripciones situadas al sur de la Avda. Rivadavia fueron mayores ($R_i = 65.18$; $\phi = 3.4$) que los de las situadas al norte ($R_i = 46.70$; $\phi = 2.4$) ($p < 0.001$). El α presentó un comportamiento opuesto (Norte: 1055.5; Sur: 757.2). La correlación entre las matrices isonímica y geográfica fue de -0.165 ($p < 0.001$). Los resultados indicarían un aislamiento por distancia y una subdivisión de la población metropolitana con una mayor relación biológica, consanguinidad y deriva génica de las circunscripciones situadas al sur de la CABA.

Palabras clave: CABA – isonimia – estructura de población

LA MISION SALESIANA “LA CANDELARIA” Y LOS CAMBIOS EN LA DIETA DE LOS SELK’NAM

Casali, R^{1,2}; Guichón, RA^{2,3,4}

¹Becaria FONCYT, Proyecto 13889. ²Lab. de Ecología Evolutiva Humana, UNCPBA. ³CO-NICET. ⁴Lab. de Zoonosis Parasitarias, UNMdP. rcasali@mdp.edu.ar

Esta comunicación tiene como objetivo dar a conocer los primeros resultados acerca del análisis de la dieta de los aborígenes Selk’nam que habitaron en la Misión Salesiana ‘La Candelaria’, Río Grande (Tierra del Fuego) durante su funcionamiento (1893-1931). Nuestros anteriores estudios señalaron a la tuberculosis como causa de muerte excluyente dentro de la Misión. Por tanto, asumimos la relevancia de evaluar y generar información comparativa, acerca de aspectos de la vida cotidiana, en este caso los cambios dietarios, y su incidencia en la salud de los Selk’nam. Se trata de un abordaje interdisciplinario, en función de la conexión de distintos tipos de evidencia y de una visión totalizadora del proceso de desaparición étnica (intervención de múltiples factores con grado variable de sustento en el contacto interétnico, lo mismo que con un comportamiento sinérgico). Se revisan fuentes etnográficas, etnohistóricas y primarias (registros internos de la Misión). Se entrelazan los datos obtenidos, atendiendo a variables cuanti y cualitativas, lo mismo que a las referencias al ámbito de la Misión, como al exterior. Se formaliza una lectura historiográfica, antropológica y biológica. Se vislumbra un claro contraste en el tipo de dieta pre y pos contacto interétnico, lo mismo que una discordancia entre los ámbitos “naturales” y la Misión.

Palabras clave: Selk’nam, dieta, salud, contacto interétnico.

Keywords: Selk’nam, ancient diet, health, interethnic contact.

VARIACIÓN DE HAPLOTIPOS DE STR-Y EN MOCOVÍES DE SANTA FÉ

Catanesi, C¹; Zukas, P²; Méndez, MG³; Vidal Rioja, L¹

¹IMBICE; ²Lab. Zukas, Santa Fé. ³Fac. Cs. Naturales y Museo, UNLP
ccatanesi@imbice.org.ar

Los marcadores STRs son de gran utilidad en genética poblacional, y su grado de variación depende en parte de su localización genómica y su modo de herencia. La población mocoví constituye una etnia muy reducida en la actualidad, que presenta características propias tanto para marcadores del sistema HLA como para STRs autosómicos. Dado que en etnias reducidas numéricamente es frecuente la pérdida de variabilidad del Y debido a barridos selectivos, el objetivo del trabajo fue evaluar la variabilidad de STRs-Y en una muestra de varones mocovíes. Se analizaron 10 STR-Y en 26 varones no emparentados de Colonia Dolores, Santa Fé. Los 26 individuos presentaron haplotipos diferentes, que se compararon con los perfiles de STR-Y de la base de datos de Promega; entre éstos, 19 no se hallan en la base de datos y 7 se han observado previamente en una muestra de 894 hispanos (incluyendo 2 también descritos en una muestra de 1108 afroamericanos y 3 que se hallan en varias poblaciones del mundo). Con respecto a la variación alélica, se encontraron algunos alelos que no se han observado en otras etnias de amerindios chaqueños (DYS390-12, DYS393-11). La riqueza haplotípica observada para STR-Y de mocovíes permite concluir que esta etnia aún conserva una alta variabilidad, a pesar de haber sufrido gran reducción numérica en el pasado.

ANÁLISIS DE PSEUDOEQUILIBRIOS DE LIGAMIENTO DEL CROMOSOMA Y MEDIANTE SIMULACIONES DE DIVERSOS FACTORES EVOLUTIVOS

*Colistro, Valentina**; *Bertoni, Bernardo**

*Depto. de Genética. Facultad de Medicina. Udelar. Montevideo-Uruguay.
vcolistro@fmed.edu.uy

La región varón específica del cromosoma Y, es extensamente estudiada a nivel de la evolución humana, siendo una oportunidad única para analizar los efectos de factores evolutivos en la dinámica de los haplotipos basados en microsatélites por carecer de recombinación. En diferentes poblaciones, distribuidas a nivel mundial, se encuentran “pseudoequilibrios” de ligamiento entre microsatélites del cromosoma Y. Por lo cual, la prueba de desequilibrios de ligamiento (LD), puede ser una herramienta para evidenciar la acción de diversos factores evolutivos. Aplicando un modelo coalescente se simuló el efecto de diferentes escenarios demográficos/evolutivos, que incluyen mutación, migración y crecimiento poblacional en la estimación del desequilibrio de ligamiento. Para esto, se tomaron 3 microsatélites totalmente ligados y 3 poblaciones con tamaños efectivos de 10000 a 20000 individuos. Se muestrearon 100 cromosomas en cada una de las 1000 simulaciones realizadas para detectar LD mediante la prueba exacta de Fisher. Se observa que en los escenarios planteados se establece un “pseudoequilibrio” de ligamiento con valores cercanos a los observados en las poblaciones naturales. Es posible que los “pseudoequilibrios” encontrados se extiendan a los loci autosómicos en poblaciones donde se encuentren situaciones similares a las descriptas.

ANÁLISIS DE BIOINDICADORES DIETARIOS EN POBLACIONES PREHISPÁNICAS DEL CENTRO DE ARGENTINA DURANTE EL HOLOCENO

Fabra, Mariana; Gonzalez, Claudina V

Museo de Antropología, F.F. y H., UNC. mfabra@ffyh.unc.edu.ar

La información arqueológica acerca de las poblaciones prehispánicas que ocuparon la región austral de las Sierras Pampeanas sugiere, desde inicios del Holoceno hasta la llegada de los españoles, la existencia de diversas estrategias de adaptación. El objetivo de este trabajo es analizar la diversidad temporal y espacial de la dieta de las poblaciones asentadas en esta región, analizando bioindicadores como caries e información isotópica $-\delta C13$ y $\delta N15$. Como hipótesis de trabajo, es de esperar cambios tanto en la frecuencia de caries como en los valores isotópicos entre poblaciones de cazadores-recolectores y aquellas que han incorporado la agricultura. El registro de caries se realizó sobre un total de 50 individuos adultos de ambos sexos, y el análisis isotópico se efectuó sobre 9 muestras de colágeno óseo, cuyos fechados radiocarbónicos las ubican desde fines del Holoceno Medio al Holoceno tardío final (4500-300 a.P.). Se aplicó el test de X^2 para evaluar la significación estadística de las diferencias observadas. Los resultados isotópicos y bioantropológicos serían coincidentes con información arqueológica previa, y permitirían interpretar la introducción de los cultígenos a la dieta de estas poblaciones como un proceso paulatino, que no supuso un cambio radical en la dieta de estas poblaciones.

Palabras clave: dieta, caries, isótopos estables, poblaciones prehispánicas, Córdoba

Keywords: diet, dental pathologies, stable isotopes, prehispanic populations, Córdoba

EVOLUCIÓN DEL DIMORFISMO SEXUAL EN LA ESTATURA ADULTA DE LA ETNIA CHOROTE

Ferrarini, Stella O¹; Méndez, Marta G^{1 2}

¹Facultad de Ciencias Naturales y Museo, UNLP; ²CONICET.
stellaferrarini@hotmail.com

Mientras que en todas las sociedades conocidas las mujeres son más bajas que los hombres, la relación entre el promedio de la altura masculina y la femenina es variable. El dimorfismo sexual en la especie humana puede ser considerado como una parte del sistema adaptativo total, con componentes físicos y también energéticos y conductuales. Se estudian los cambios temporales en la expresión del dimorfismo sexual en dos muestras de individuos adultos de la etnia Chorote. Los datos de un total de 198 individuos se organizaron por sexo en cuatro series que se corresponden con dos momentos temporales sucesivos. Para cada una de ellas se calcularon media, DS y CV. Se confrontaron las series temporales mediante el cálculo de las diferencias de las medias: a) en valor absoluto; b) en índice de dimorfismo; c) en la relación estatura masculina/estatura femenina; y finalmente d) la significación de las diferencias a través de la prueba “t”. Además, se analizaron las distribuciones internas de cada serie con datos agrupados por clases diferentes para cada sexo. Los resultados ponen de manifiesto una tendencia hacia la concentración mayoritaria en la clase estatura mediana y expresan la existencia de dimorfismo en distintos momentos históricos, con el aumento del mismo a expensas del aumento en la estatura masculina y el mantenimiento de la femenina; de manera que las diferencias se transforman de no significativas en significativas en las series más recientes. Estos resultados respaldan la hipótesis de que los hombres tienden a estar algo menos canalizados en su desarrollo, respecto al tamaño, que las mujeres. Para éstas la reproducción exitosa plantea demandas fisiológicas más exigentes sobre el tamaño, mientras para los hombres las variaciones en tamaño, excepto cuando ponen en peligro la supervivencia o la selección sexual, pueden ser consideradas irrelevantes para el éxito reproductivo.

Palabras clave: estatura, dimorfismo sexual, antropología evolutiva.

Keywords: height, sexual dimorphism, evolutionary anthropology

NUEVOS EXÁMENES DE SEDIMENTOS ARQUEOLÓGICOS EN PATAGONIA: ESTUDIO MULTIDISCIPLINARIO

Fugassa, MH^{1,2}; Martínez, PA²; Guichón, RA^{1,2,3}; Centeno, N⁴

¹CONICET; ²Lab. de Zoonosis Parasitarias, UNMdP; ³Lab. de Ecol. Evol. Humana, UNCPBA; ⁴Centro de Estudios e Investigaciones, UNQ. E-mail: mfugassa@mdp.edu.ar

Se informa sobre nuevos estudios paleobiológicos en sedimentos arqueológicos de Patagonia. Se analizaron sedimentos pertenecientes a la cintura pélvica de uno de los cuerpos hallados en el sitio Alero Mazquiarán, Chubut, Argentina (212±5 años AP). Durante el estudio paleoparasitológico de los sedimentos se observaron diversos restos de artrópodos. Éstos se colectaron y se examinaron bajo lupa. Asimismo, se realizó flotación para recuperar restos microscópicos registrándose numerosos ácaros de diversos grupos y bajo lupa se identificaron pupas de lepidópteros, de dípteros y fragmentos de coleópteros. El estudio permitió aportar información para la comprensión del proceso de inhumación del individuo. Se señala la importancia del rescate de los sedimentos asociados a los materiales arqueológicos para el estudio de aspectos bioculturales. Esto se discute en concordancia con otros resultados obtenidos al explorar nuevas fuentes de evidencia tales como forámenes sacrales, pellets de regurgitación hallados en sitios arqueológicos y mantas aborígenes Selk'nam de principios de siglo XX.

Palabras clave: entomología forense, acarología, paleoparasitología.

Keywords: forensic entomology, acarology, paleoparasitology

EXAMEN PALEOPARASITOLÓGICO DE COPROLITOS DE FELINOS: ZONOSIS DURANTE EL HOLOCENO PATAGÓNICO

Fugassa, MH^{1,2}; Bayer, MS²; Sardella, NH^{1,2}

¹CONICET; ²Lab. de Zoonosis Parasitarias, Depto. de Biología, FCEyN, UNMDP.
mfugassa@mdp.edu.ar

El objetivo del presente fue recuperar información ecológica y biogeográfica del examen paleoparasitológico de coprolitos de fauna asociada a sitios arqueológicos. Las muestras proceden del sitio CCP5, capa IV (6540 ± 110 años AP), Santa Cruz, Argentina. La morfología de los coprolitos sugiere que procederían de grandes felinos. Muestras de 0.5 g de la superficie y del interior de cada uno fueron rehidratadas en fosfato trisódico acuoso y posteriormente procesadas por sedimentación espontánea. Se hallaron huevos de *Capillaria* sp., similar a *C. hepática*, de *Trichuris* sp. y de anoplocefálicos. También se identificó un huevo compatible con *Oesophagostomum* sp., huevos de ascarídeos y algunos similares a ancilostómidos. Se identificó un ooquiste de *Eimeria macuasaniensis*. Estos reportes aumentan el cuerpo de datos referentes a la biogeografía para tiempos prehispánicos. La deposición en cuevas que han tenido un uso intensivo pudo significar centros para la transmisión de enfermedades entre las especies animales como así también con el hombre.

Palabras clave: Paleoparasitología, nematodos, parásitos.

Keywords: Paleoparasitology, nematodes, parasites.

PRIMER ANÁLISIS DE RESTOS ÓSEOS HUMANOS DEL SITIO PP9.I ESTRUCTURA 1 - ANTOFAGASTA DE LA SIERRA, CATAMARCA

*González Baroni, L; Binda, VR; Castellanos, MC; Haros, MC;
Colaneri, MG; Babot, MP*

Instituto de Arqueología y Museo – Universidad Nacional de Tucumán
luciagonzalezbaroni@gmail.com

La recuperación de restos óseos humanos provenientes de un entierro secundario del sitio Punta de la Peña 9, sector I, motivó la necesidad de efectuar un primer análisis bioantropológico de los mismos. Estos corresponden a ocupaciones agropastoriles anteriores a los 830 años AP que fechan carbones suprayacentes. El material recuperado, fragmentado y en regular estado de conservación, fue objeto de una inspección macroscópica, seguida de un análisis morfológico y métrico destinado a estimar MNI, edad, sexo, estado sanitario y presencia, o no, de deformación cefálica artificial. Los resultados alcanzados son: 2 individuos, uno de probable sexo femenino (el otro no determinado), de edad entre 20 y 40 años, sin señales de violencia evidentes, y con una asimetría de la sutura sagital y espina frontal, desplazadas hacia la izquierda del individuo. Se encuentra en proceso una segunda etapa de análisis que permita completar o complementar los aspectos arriba mencionados incluyendo el estudio del contexto de depositación.

Palabras clave: bioantropología - NOA - bones - osteoarchaeology

RETARDO PRENATAL DE CRECIMIENTO (RPC): MODIFICACIÓN DEL DIMORFISMO SEXUAL AL NACIMIENTO

Luna, ME^{1,2}; Cesan, MF^{1,2}; Fucini, MC^{1,3}; Guimarey, LM^{1,4}; Quintero, FA¹; Prío, V⁵; Villanueva, M⁵; Oyhenart, EE^{1,2}

¹CIGEBA FCV. UNLP. ²CONICET. ³Facultad de Odontología. UNLP.

⁴CICPBA. ⁵Servicio de Diagnóstico por Imágenes. FCV. UNLP.

lunamariaeugenia@hotmail.com

El objetivo del presente trabajo fue analizar experimentalmente, el efecto de la reducción del flujo sanguíneo útero placentario sobre el dimorfismo sexual postcraneano. Ratas Wistar fueron divididas en tres grupos: 1) control, 2) RPC: inducido por ligamiento parcial de arterias uterinas al día 1 de gestación y 3) Sham-operado: se les practicó la misma técnica operatoria pero sin realizar el ligamiento arterial. Al nacimiento las crías fueron radiografiadas y se midieron las longitudes del tronco, pélvica, femoral, tibial, humeral y radial. Los datos se analizaron mediante Análisis de Varianza y pruebas post hoc de comparación múltiple. Hubo diferencias significativas entre sham-operado y RPC en: longitud pélvica (ambos sexos), femoral, humeral y tibial (en machos) y radial (en hembras). Las diferencias sexuales encontradas en el tronco y la pelvis de sham-operados fueron inhibidas por RPC. Los resultados obtenidos sugieren que la reducción del flujo sanguíneo placentario retarda el crecimiento postcraneano especialmente en machos y como consecuencia, modifica la expresión normal del dimorfismo sexual.

Palabras clave: Retardo Prenatal de Crecimiento, Dimorfismo Sexual

Keywords: IUGR, Sexual Dimorphism

VARIACION TEMPORAL EN LA ESTATURA DE POBLACIONES EXTINTAS DE CAZADORES-RECOLECTORES DEL NORDESTE DEL CHUBUT

Millán, Ana Gabriela⁽¹⁾; *Zavatti, Jorge*⁽³⁾;
Gómez Otero, Julieta⁽²⁾; *Dahinten, Silvia*^(1,2)

⁽¹⁾ Universidad Nacional de la Patagonia San Juan Bosco, sede Puerto Madryn, Chubut, Argentina. ⁽²⁾ Centro Nacional Patagónico (CONICET), Puerto Madryn, Chubut, Argentina. ⁽³⁾ Aluar, Puerto Madryn, Chubut, Argentina. gabymillan@yahoo.com.ar

Se presentan los resultados preliminares de un estudio sobre la variación temporal de la estatura en poblaciones de cazadores recolectores del Nordeste de Chubut. La muestra se integró por 21 esqueletos de ambos sexos provenientes de enterratorios localizados entre Península Valdés (42° 05' S y 63° 05' W) y el valle inferior del río Chubut (43° S y 65° W) y cuyo rango temporal abarcó desde 2640 AP a 200 AP. Los esqueletos fueron sexados teniendo en cuenta características cualitativas de la pelvis y el cráneo y características cuantitativas del fémur. La estatura se estimó a partir de la longitud del fémur de acuerdo con el método de Trotter y Glesser (1958). El tratamiento estadístico consistió en SK Kendall tests para análisis de tendencias en series de tiempo (Yu et al , 1993). Los resultados muestran en general una tendencia al incremento en talla, sugiriendo la existencia de condiciones socio-ambientales favorables para estas poblaciones en el período considerado.

Palabras clave: cazadores-recolectores; Patagonia; estatura; variación temporal

CRECIMIENTO DE NIÑOS PAMPEANOS EN RELACIÓN CON LAS REFERENCIAS NACIONAL Y NCHS/CDC

Orden, AB^{1,2}; Castro, L³; Cesani, MF^{1,2}; Luis, MA³; Quintero, FA³; Torres, MF⁴; Zucchi, M^{1,2}; Oyhenart, EE^{1,2,3}

¹CIGEBBA-Facultad de Ciencias Veterinarias, UNLP; ²CONICET; ³Facultad de Ciencias Naturales y Museo, UNLP; ⁴Facultad de Filosofía y Letras, UBA.

El objetivo del presente estudio fue comparar el peso y la talla de escolares pampeanos con los publicados en las tablas argentinas y en la referencia NCHS/CDC. Se midieron 2224 niños de 6 a 14 años de edad. Los datos se compararon con ambas referencias mediante pruebas de t (IC=0.95; α =0.005). En varones, la talla fue significativamente menor al NCHS a partir de los 13 años y mayor que la referencia nacional en todas las edades. En mujeres, fue significativamente menor al NCHS a los 7, 8 y 12-14 años y mayor a la referencia nacional excepto a los 13 y 14 años. El peso de los varones fue significativamente mayor al NCHS (hasta los 10 años) y que la referencia nacional (hasta los 12 años). En las niñas fueron significativamente mayores al NCHS (7 y 10 años) y a la referencia nacional (7 y 11 años). Los resultados indican un elevado peso corporal en estos escolares en relación a ambas referencias. La estatura, que se ubicó entre ambas las medianas, divergió del NCHS al inicio de la pubertad, especialmente en las niñas, que se acercaron a la referencia nacional. Estos hallazgos sugieren posibles cambios seculares positivos en peso y talla de los niños pampeanos y plantean la necesidad de actualizar la referencia nacional.

Palabras clave: crecimiento, tendencia secular, estándares

Keywords: growth, secular trend, growth charts

ANÁLISIS DE SNPS EN UNA MUESTRA DE MUJERES DE RUIZ DE MONTOYA, MISIONES

*Quintero, I¹; Cabrera, M¹; Liotta, J¹; Tonón, S^{†1}; Campos, R²; Badano, I¹;
†Tonon, Sergio A (1964-2006)*

¹LaBiMAp. FCEQyN, UnaM. ²Cátedra de Virología. FFyB. UBA
Email: inquintero@yahoo.com.ar

Los SNPs (polimorfismos de un único nucleótido) resuelven la mínima escala de variación genética entre individuos; actúan como improntas de nacimiento y su variedad caracteriza al grupo poblacional. El objetivo del presente trabajo fue analizar 2 SNPs de la región promotora del Factor de Necrosis Tumoral alfa posiciones -307 y -237. La genotipificación se realizó mediante PCR y secuenciación de muestras de ADN total extraídas a partir de cepillados cervicales de 40 mujeres del municipio de Ruiz de Montoya, una colonia de origen suizo de la provincia de Misiones. Se determinaron las frecuencias alélicas y genotípicas para cada SNPs y se evaluó si se encontraban en equilibrio Hardy-Weinberg (HW). La frecuencias obtenidas fueron comparadas con las publicadas por Baena et al. 2002 para poblaciones de distintos orígenes geográficos. Los resultados obtenidos fueron: frecuencia alélica SNP-307A 0,06 y SNP-237A 0,05, las frecuencias genotípicas se encontraban en equilibrio de HW. A diferencia de lo esperado de acuerdo a las características socioculturales del asentamiento, las frecuencias alélicas no coincidieron con las reportadas para Europeos por Baena, sino que fueron similares a las descriptas para Asiáticos (SNP-307) y Amerindios (SNP-237). Dadas las características y tamaño de la muestra, estos resultados deberán ser confirmados en futuros estudios.

CRECIMIENTO CRANEOFACIAL EN HUMANOS ENTRE 20 Y 39 AÑOS

*Sardi, Marina L; Anselmo, Marisol; Barbeito, Jimena;
Pucciarelli, Héctor M*

División Antropología, Museo de La Plata, UNLP, Argentina
msardi@fenym.unlp.edu.ar

Los estudios de diferenciación craneana entre poblaciones humanas o entre primates se realizan en general con individuos adultos, pues se considera que el crecimiento ha finalizado y que pequeñas variaciones no afectan las comparaciones de modo significativo. El principal criterio para clasificar a un individuo como “adulto” es el cierre de la sincondrosis esfeno-basilar (SEB) y, en algunos casos, también la erupción del tercer molar (M3). El objetivo es determinar si existen cambios significativos en la morfología craneana a lo largo de las 3ra y 4ta décadas de vida que sean a) dependientes de la edad y b) dependientes de la maduración dentaria. Se probará la hipótesis que indica que en individuos adultos, la edad y la presencia de M3 no se asocian a variación morfológica significativa. Se estudiaron 177 cráneos de 20-39 años de edad, con la SEB cerrada, divididos por la presencia (+M3) o ausencia (-M3) del M3. Se tomaron la longitud, ancho y altura neurales y faciales. Se realizó prueba de t y correlación de Pearson para evaluar la variación respecto de la edad en toda la muestra y ANCOVA entre -M3 y +M3, considerando la covariación con la edad. La única medida que resultó asociada a la edad es el ancho facial ($p < 0.01$). Se hallaron diferencias entre -M3 y +M3 debido a mayores longitudes neural y facial y ancho facial en +M3. Siendo que durante los 20 y 39 años de edad hay diferenciación morfológica dependiente de la edad y del desarrollo dentario, la hipótesis propuesta se rechaza. Esto sugiere que una desigual distribución etárea en comparaciones de poblaciones humanas podría influir en la diferenciación observada.

Palabras clave: crecimiento adulto, M3.

Keywords: adult growth, M3.

INFLUENCIA DEL CIERRE DE LA SINCONDROSIS ESFENO-BASILAR EN EL CRECIMIENTO CRANEOFACIAL

*Sardi, Marina L¹; Barbeito, Jimena¹; Anselmo, Marisol¹;
Ramírez Rozzi, Fernando²; Pucciarelli, Héctor M¹*

¹División Antropología, Museo de La Plata, UNLP, Argentina. ²UPR 2147, CNRS, Francia.
msardi@fcnym.unlp.edu.ar

La sincondrosis esfeno-basilar (SEB) es un centro de crecimiento de la base craneana, por el cual ésta se adapta a la expansión cerebral e influye en la forma facial. Una vez cerrada, se acepta que no hay cambios significativos. En Antropología, se toma el cierre de la SEB como criterio para clasificar a individuos como mayores de 20 años. Sin embargo, el cierre de la SEB se produce durante la adolescencia, cuando aún hay importante cambio morfológico. El objetivo es evaluar el crecimiento craneofacial adolescente para probar las hipótesis: a) los individuos con SEB cerrada presentan mayor tamaño que los de SEB abierta y b) el crecimiento asociado a la edad presenta diferentes trayectorias en individuos con SEB abierta y con SEB cerrada. Se estudiaron 118 cráneos (edad: 11-19), divididos entre los que tienen la SEB abierta y cerrada. Se tomaron la longitud, ancho y altura en los componentes neurales anterior, medio y posterior, óptico, respiratorio, masticatorio y alveolar. Se realizó prueba de t entre individuos con SEB abierta y cerrada a las edades 15, 16 y 17 (hipótesis a). En el 96% de las comparaciones la hipótesis a) fue rechazada. Se realizó regresión multivariada para evaluar el cambio morfológico asociado a la edad (hipótesis b). Se observaron cambios altamente significativos entre los 11 y 19 años, pero no hay diferencias en las trayectorias de los individuos de SEB cerrada. Se concluye que el cierre de la SEB no es un evento asociado a cambios morfológicos de las trayectorias de crecimiento craneofacial.

Palabras clave: crecimiento craneofacial.

Keyword: cranial growth

ESTUDIO ANTROPOMÉTRICO EN POBLACIONES DE ASCENDENCIA AMERINDIA Y COSMOPOLITA DE LA PROVINCIA DE MISIONES

Zonta, Lorena^(1,2,3); *Garraza, Mariela*^(2,3); *Gamboa, I*^(2,5);
Navone, Graciela^(1,2,3); *Oyhenart, Evelia*^(1,3,4)

⁽¹⁾CONICET, ⁽²⁾CEPAVE, UNLP, ⁽³⁾Cátedra de Antropología Biológica IV. FCNyM, UNLP,

⁽⁴⁾CICPBA. lorenzonta@cepave.edu.ar

El objetivo del presente trabajo fue determinar el estado nutricional de niños de 4 a 14 años pertenecientes a dos poblaciones, una Mbya-Guaraní y otra cosmopolita residentes en Aristóbulo del Valle, Provincia de Misiones. El estudio fue de tipo transversal. Se relevaron peso corporal y talla y se calculó el Índice de Masa Corporal (IMC). Para la determinación del estado nutricional se empleó como referencia NHANES I y II. Se consideraron escores z menores a -2 para definir bajo peso/edad (BP/E), baja talla/edad (BT/E) y bajo peso/talla (BP/T). El sobrepeso y la obesidad fueron determinados por los valores de IMC comprendidos entre los percentilos 85 y 95 ó superiores al percentilo 95, respectivamente. Del total de niños Mbya-Guaraní el 43.6% presentó BT/E y el 15.4% sobrepeso-obesidad. Los niños cosmopolitas pesentaron 9.3% BT/E y 13.1% sobrepeso-obesidad. En ninguna de las poblaciones analizadas se observaron BP/E y BP/T. Estos resultados son concordantes con otros informados en amerindios respecto a la elevada prevalencia de baja talla/edad. Aportan además, nuevas evidencias sobre el incremento de la obesidad, como parte del proceso de transición nutricional. Los cambios en el estilo de vida pueden explicar en parte la tendencia observada.

Palabras clave: Transición Nutricional, Desnutrición, Obesidad

Keywords: Nutritional Transition, Undernutrition, Obesity